FR04/1467



REC'D 24 SEP 2004
WIPO PCT

BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ - CERTIFICAT D'ADDITION

COPIE OFFICIELLE

Le Directeur général de l'Institut national de la propriété industrielle certifie que le document ci-annexé est la copie certifiée conforme d'une demande de titre de propriété industrielle déposée à l'Institut.

Fait à Paris, le _______1 5 JUIN 2004

Pour le Directeur général de l'Institutnational de la propriété industrielle Le Chef du Département des brevets

DOCUMENT DE PRIORITÉ

PRÉSENTÉ OU TRANSMIS CONFORMÉMENT À LA RÈGLE 17.1.a) OU b) MHeuch

Martine PLANCHE

BEST AVAILABLE COPY

INSTITUT National de La propriete Industrielle SIEGE 26 bls, rue de Saint-Petersbourg 75800 PARIS cedex 08 Télécopie : 33 (0)1 53 04 53 04 Télécopie : 33 (0)1 53 04 45 23 www.inpl.tr

Contract of the



BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ Code de la propriété intellectuelle - Livre VI



HATTIONAL DE LA PROPRIETE

26 bis, rue de Saint Pétersbourg

75800 Paris Cedex 08

Téléphone: 01 53 04 53 04 Télécople: 01 42 94 86 54

REQUÊTE EN DÉLIVRANCE 1/2

			Cet imprimé est à remplir lisiblement à l'encre noire DB 540 W /260899								
RÉSEIVÉ À L'INPI			NOM ET ADRESSE DU DEMANDEUR OU DU MANDATAIRE								
DATE 11 JU	JIN 2003		À QUI LA CORRESPONDANCE DOIT ÊTRE ADRESSÉE								
75 INPI			GROSSET-FOURNIER & DEMACHY								
N° D'ENREGISTREMENT	0306992	,									
NATIONAL ATTRIBUÉ PAR L'	INP		54, rue Saint-Lazare F-75009 Paris								
DATE DE DÉPÔT ATTRIBUÉE PAR L'INPI	t 1 JUIN 200	i 3 '+ :	F-/3009	Palis							
				,							
Vos références po (facultatif)	FB 03 AQ CNR AZA3	•	*	•					3		
	n dépôt par télécopie	☐ N° attribué pa	r l'INPI à la télécopi	e .				F			
2 NATURE DE L		Cochez l'une des 4 cases suivantes									
	Demande de brevet										
<u> </u>	ertificat d'utilité										
Demande divis	sionnaire										
	Down and Jahannat initials	N _o		Data	ı	,	,				
	Demande de brevet initiale	,		Date	 	,	/	,			
	nde de certificat d'utilité initiale	N°	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	Date							
,	d'une demande de Demande de Demande de brevet initiale	N° ·		Date	1	/	,	1			
	NVENTION (200 caractères ou		•	Date							
	TIDIQUES COMPRENANT AU		▲♥▲ -R³_AMINOACY	er et leui	RS						
ANALOGUES PER A UTILISATIONS, NO	TIDIQUES COMPRENANT AU OTAMMENT EN THERAPIE	MUINS UN REDECT.	AZA-p -minari	Lib) 11 A							
	·						•				
DÉCLARATIO	N DE PRIORITÉ	Pays ou organisati									
OU REQUÊTE	E DU BÉNÉFICE DE	Date i / · /		Иo							
-	DÉPÔT D'UNE	Pays ou organisati		-10							
		Date / /		N°							
DEMANDE A	NTÉRIEURE FRANÇAISE	Pays ou organisati		N°							
1											
DEMANDEU		S'il y a d'autres demandeurs, cochez la case et utilisez l'imprimé «Suite»									
Nom ou dénor	mination sociale	CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE									
Prénoms											
Forme juridique											
N° SIREN											
Code APE-NAF		1 1									
Adresse	Rue	3, rue Michel-A	Ange								
	Code postal et ville							-			
Pays		F-75794 PARIS CEDEX 16									
Nationalité .		FRANCE									
N° de téléphone (facultatif)		PRAIRCAIGE									
N° de télécopie (facultatif)											
Adresse électronique (facultatif)		Į.	•								



BREVET D'INVENTION CERTIFICAT D'UTILITÉ



REQUÊTE EN DÉLIVRANCE 2/2

		Discould & PINION			
	ISE DES PIÈCES	Réservé à l'INPI		i	
DATE	4 4 81	UIN 2003	,	l -	
LIEU		PI PARIS	<i>*</i> !	l .	
N₀ D.	PENREGISTREMENT			l .	
	IONAL ATTRIBUÉ PAR L	CINPI 0306992	2	1	22 540 W 1050s
	s références po cultatif)	oour ce dossier :	IFB 03 AQ CNI	R AZA3	DB 540 W /2608
6.	·				
	Nom		DEMACHY		
	Prénom		Charles		
	Cabinet ou Soc			URNIER & DEMA	ACHY
	N °de pouvoir de lien contrac	r permanent et/ou actuel		·	
	Adresse	Rue	54, rue Saint-L	979re	· ·
		Code postal et ville	75009 PARI	re	
	N° de téléphor	one (facultatif)	01.42.81.09.58		
	N° de télécopie	ne (facultatif)	01.42.81.08.71		
L_		ionque (jacunatij)	01.42.01.00.71		
Z	INVENTEUR ((S)			
		s sont les demandeurs	□ Oui ⊠ Non Dans ce	cas fournir une désig	nation d'inventeur(s) séparée
8	RAPPORT DE	E RECHERCHE			et (y compris division et transformation)
		Établissement immédiat	×		
		ou établissement différé	_		
			 	versements, uniquem	nent pour les personnes physiques
	Paiement éche	elonné de la redevance	Oui	. For our contact of the contact of	eur hour res hersonmes hutsidaes
			Non		
			Uniquement pour	les personnes physique	
	DES REDEVAI	NCES	Requise pour la	première fois pour cette i	invention (joindre un avis de non-imposition)
			Requise antérieu	rement à ce dépôt (joine	idre une copie de la décision d'admission
			pour cette invent	tion ou indiquer sa référenc	ce):
	Ci vous avez i	ver / Dimenian - Cuitan			
	indiquez le no	utilisé l'imprimé «Suite», ombre de pages jointes	<u> </u>		
	OU DU MAND	DU DEMANDEUR DATAIRE Charles	DEMACHY	1	VISA DE LA PRÉFECTURE OU DE L'INPI
	(Nom et quair	lité du signataire) Mandata	taire /, /	/ / /	
		422.5/PF		-1	
			"W		
			<u> </u>		

La loi n°78-17 du 6 janvier 1978 relative à l'informatique, aux fichiers et aux libertés s'applique aux réponses faites à ce formulaire. Elle garantit un droit d'accès et de rectification pour les données vous concernant auprès de l'iNPI.

analogues peptidiques comprenant au moins un residu aza- β^3 -aminoacyle, et leurs utilisations, notamment en therapie

5

10

15

20 .

La présente invention a pour objet des analogues de peptides ou protéines parents, ces analogues peptidiques, comprenant au moins un résidu aza- β^3 aminoacyle, ainsi que leurs utilisations dans des compositions pharmaceutiques ou pour le diagnostic de pathologies dans lesquelles sont impliqués les peptides ou protéines parents susmentionnés.

L'identification des régions antigéniques (ou épitopes) reconnues par les cellules T et la compréhension des bases moléculaires et cellulaires de la reconnaissance antigéniques sont considérées comme des étapes clés dans la conception et le développement de stratégies vaccinales et d'immunomodulation. L'immunisation à l'aide de peptides correspondant à des épitopes du non-soi (par exemple viraux, bactériens) ou du soi (par exemple tumoraux) pour induire des anticorps et/ou des lymphocytes T auxiliaires (Th) ou des lymphocytes cytotoxiques (CTL) spécifiques de la tumeur ou du virus, est aujourd'hui une stratégie particulièrement prometteuse dans le développement de vaccins synthétiques. Dans le cas des vaccins antiviraux par exemple, les peptides présentent plusieurs avantages majeurs sur les préparations traditionnelles de virus atténués ou inactivés, à savoir une production plus simple, chimiquement définie et parfaitement contrôlable, ainsi qu'une meilleure stabilité à température ambiante. Des approches thérapeutiques basées sur des épitopes T CD4⁺ d'antigènes du soi sont aussi proposées

25

En pratique, cependant, les peptides se révèlent souvent peu immunogènes et ne permettent pas d'obtenir des titres élevés d'anticorps capables de réagir avec la protéine native ou la particule virale. Ces limitations à l'utilisation des peptides dans le développement de vaccins synthétiques sont probablement liées à une biodégradabilité importante dans les fluides biologiques, une mauvaise diffusion à travers les systèmes membranaires et par le manque de sélectivité vis-à-vis de la cible.

30

Différentes approches ont été développées pour "transformer" les peptides en molécules capables d'induire une réponse immune humorale ou cellulaire plus forte et plus spécifique. L'introduction dans des peptides antigéniques de liaisons pseudopeptidiques est une stratégie des plus intéressantes pour améliorer leurs

10

15

20

25

30

caractéristiques physico-chimiques propres et leur aptitude à interagir avec les effecteurs du système immunitaire. Malgré les applications potentielles importantes dans le domaine du diagnostic, de la vaccination ou de l'immunomodulation, et l'étendue des connaissances de ces analogues acquises dans des domaines chimique et pharmacologique, les pseudopeptides sont encore peu utilisés en immunologie.

La présente invention a pour but de fournir des analogues peptidiques résistants aux enzymes de dégradation, et capables de mimer l'activité de divers peptides natifs, agents de vaccination ou d'immunomodulation.

L'invention a plus particulièrement pour but de fournir des analogues peptidiques qui se caractérisent par l'introduction de monomères, ne présentant pas de centre chiraux carbonés, ce qui permet de s'affranchir des difficultés liées à la synthèse asymétrique et aux problèmes d'épimérisation. Cette famille d'analogues peptidiques constitue une nouvelle classe de peptidomimétiques, dans lesquels les résidus (chaînes latérales) sont portés par des atomes d'azote chiraux à configuration non fixée, ce qui leur confère une grande adaptabilité spatiale. Le positionnement correct des peptidomimétiques construits selon ce principe, dans un site enzymatique se produit à la fois par le déplacement d'équilibres conformationnel et configurationnel. L'action d'un tel composé, d'un point de vue stéréochimique, est équivalente à celle d'un mélange de diastéréoisomères en équilibre rapide, l'interaction avec le site enzymatique déplaçant l'équilibre vers le ou les stéréoisomères les plus affins. D'autres bénéfices potentiels peuvent également en résulter, tels que, d'un point de vue chimique, une simplification des méthodes de synthèse (suppression des problèmes stéréochimiques), et d'autre part, une plus grande résistance de tels analogues aux squelettes modifiés, vis-à-vis de l'action des peptidases. La synthèse préalable de ces monomères, autorise l'introduction d'une bonne diversité de chaînes latérales, aussi bien en série protéogénique que non protéogénique, et donc permet de moduler dans une certaine mesure, leur affinité et leur lipophilie.

L'invention a également pour but de fournir des compositions pharmaceutiques comprenant de tels analogues peptidiques, ainsi que des méthodes de diagnostic *in vitro* de pathologies impliquant les peptides parents dont sont issus ces analogues peptidiques, et des kits pour la mise en oeuvre de ces méthodes.

La présente invention a pour objet l'utilisation d'analogues de peptides ou protéines parents, ces analogues peptidiques, encore désignés peptides hybrides, comprenant au moins un résidu aza- β^3 -aminoacyle, à savoir :

- un résidu répondant à la formule (A) suivante lorsqu'il est situé en position N-terminale,

5

dans laquelle R représente H ou un groupe protecteur de la fonction amine des aminoacides, tels que Fmoc (fluorénylméthyloxycarbonyle), Boc (tertio-butyloxycarbonyle), ou Z (benzyloxycarbonyle), et R₁ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides.

10

- un résidu répondant à la formule (B) suivante lorsqu'il est situé en position C-terminale,

15

dans laquelle R_1 représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

- un résidu répondant à la formule (C) suivante lorsqu'il est situé dans la chaîne desdits peptides hybrides,

$$\mathbb{N}^{\mathbb{N}_1}$$
 (C)

20

dans laquelle R₁ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

pour la préparation:

25

- d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies associées à la présence, dans l'organisme d'un individu, d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, ou - d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies impliquant les molécules du complexe majeur d'histocompatibilité et/ou les récepteurs des cellules T,

- d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un individu d'un anticorps susceptible d'être reconnu par un susdit peptide hybride,

ou pour la mise en oeuvre d'une méthode de diagnostic in vitro des pathologies susmentionnées.

L'invention a plus particulièrement pour objet l'utilisation susmentionnée de peptides hybrides de formule (I) suivante :

(I) $aa_{l}-N^{\alpha}haa_{m}-aa_{n}-N^{\alpha}haa_{o}-aa_{p}$

dans laquelle:

- aa₁, aa_n et aa_p représentent un résidu aminoacyle, ou un enchaînement de résidus aminoacyles, correspondant aux résidus aminoacyles présents aux mêmes positions dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus,

- N^{α} haa_m et N^{α} haa_o représentent un résidu monomère aza- β^3 aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β^3 aminoacyles analogues aux résidus aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) indiquées ci-dessus, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R_1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles,

- 1, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, et que le nombre minimum de résidus dans les dits peptides hybrides de formule (I) soit de 4.

L'invention concerne plus particulièrement l'utilisation susmentionnée de peptides hybrides issus de l'épitope 88-99 de l'histone H4 à titre de peptide parent, et correspondant à SEQ ID NO: 1, dont l'un au moins des aminoacides initiaux est substitué par un résidu analogue aza- β^3 aminoacide, pour la préparation d'un médicament, ou vaccin, destiné à la prévention ou au traitement du lupus érythémateux disséminé.

25

30

5

10

15

20

A ce titre l'invention concerne plus particulièrement l'utilisation susmentionnée de peptides hybrides issus de l'épitope 88-99 défini ci-dessus, et ayant les formules suivantes :

```
- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):
```

5 ⁸⁸H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N^α-hLeu-Tyr-Gly-OH⁹⁹

- SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-N}^{lpha}$ - $ext{hLeu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):

 $^{88}\mathrm{H}_{2}\mathrm{N}\text{-}\mathrm{Tyr}\text{-}\mathrm{N}^{\alpha}\text{-}\mathrm{hAla}\text{-}\mathrm{Leu}\text{-}\mathrm{Lys}\text{-}\mathrm{Arg}\text{-}\mathrm{Gln}\text{-}\mathrm{Gly}\text{-}\mathrm{Arg}\text{-}\mathrm{Thr}\text{-}\mathrm{Leu}\text{-}\mathrm{Tyr}\text{-}\mathrm{Gly}\text{-}\mathrm{OH}^{99}$

10 - SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):

 $^{88}\rm{H}_2N\text{-}Tyr\text{--}N^{\alpha}\text{--}hAla\text{--}N^{\alpha}\text{--}hLeu\text{--}Lys\text{--}Arg\text{--}Gln\text{--}Gly\text{--}Arg\text{--}Thr\text{--}Leu\text{--}Tyr\text{--}Gly\text{--}OH^{99}$

- SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-N}^{lpha}$ -hLys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 7:

15 ⁸⁸H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N^α-hLeu-N^α-hTyr-Gly-OH⁹⁹

- SEQ ID NO: 8:

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-N}^{lpha}$ - $ext{hGly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 9:

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Ala} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gln} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hArg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$

20 - SEQ ID NO: 10:

25

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N}^{\alpha}\textbf{-hArg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 11:

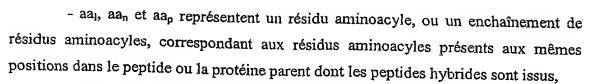
 $^{88}\rm{H}_2N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-N^{\alpha}-hTyr-Gly-OH^{99}$

L'invention concerne plus particulièrement l'utilisation susmentionnée du peptide hybride de formule SEQ ID NO : 2.

L'invention a également pour objet les peptides hybrides comprenant au moins un aza- β^3 aminoacide, ces peptides hybrides étant des analogues de peptides ou protéines parents, les dits peptides hybrides comprenant au moins un aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent.

A ce titre l'invention concerne plus particulièrement les peptides hybrides définis ci-dessus de formule (I) suivante :

 $(I) \qquad \text{aa}_{l^-} \, N^\alpha haa_m\text{-aa}_{n^-} \, N^\alpha haa_o\text{-aa}_p$ dans laquelle :



 $-N^{\alpha}$ haa_m et N^{α} haa_o représentent un résidu monomère aza- β^3 aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β^3 aminoacyles, analogues aux résidus aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) mentionnées ci-dessus, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R_1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles,

- l, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, que le nombre minimum de résidus dans lesdits peptides hybrides de formule (I) soit de 4, et l'un au moins de 1, n, ou p soit différent de zéro.

L'invention a plus particulièrement pour objet les peptides hybrides susmentionnés de formules suivantes :

- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):

20 ⁸⁸H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gin-Gly-Arg-Thr-N^α-hLeu-Tyr-Gly-OH⁹⁹

- SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-N}^{lpha}$ -**hLeu**-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):

 88 H₂N-Tyr-N $^{\alpha}$ -hAla-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

25 - SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):

5

10

15

 $^{88}\rm{H}_2N-Tyr-N^\alpha-hAla-N^\alpha-hLeu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH^{99}$

- SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-N}^{\alpha}$ -**hLys**-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEO ID NO : 7 :

30 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N}^{\alpha}\text{-}\text{hLeu-N}^{\alpha}\text{-}\text{hTyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO : 8 :

 $^{88} H_2 N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-N^{\alpha}-hGly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH^{99}$

- SEQ ID NO: 9:

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-N}^{\alpha}$ -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

i Gi ucpoi

- SEQ ID NO: 10:

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N}^{\alpha}$ - \mathbf{h} Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO : 11 :

5

 $^{88}\rm{H}_2N\text{-}Tyr\text{-}Ala\text{-}Leu\text{-}Lys\text{-}Arg\text{-}Gln\text{-}Gly\text{-}Arg\text{-}Thr\text{-}Leu\text{-}N^{\alpha}\text{-}hTyr\text{-}Gly\text{-}OH^{99}$

L'invention concerne plus particulièrement encore le peptide hybride tel que défini ci-dessus de formule suivante:

- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):

10 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-\mathbb{N}^{α}-hLeu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

L'invention concerne également un procédé de préparation d'aza- β^3 aminoacides caractérisé en ce qu'il comprend une étape de traitement de l'hydrazine substituée et protégée de formule (D) suivante :

$$GP \xrightarrow{N} N \xrightarrow{R_1} R_1$$
 (D)

dans laquelle R représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides, le cas échéant protégée, et GP un groupe protecteur des fonctions amines, tels que Boc, Fmoc, ou Z,

avec de l'acide glyoxylique sous agitation en présence de NaBH₃CN en milieu acide,

ce qui conduit en une étape au composé azaβ³ aminoacide de formule

25

30

15

20

dans laquelle R et GP sont tels que définis ci-dessus, ledit composé pouvant le cas échéant être déprotégé, notamment à l'aide de HCl, de pipéridine, ou d'hydrogène palladié, afin d'éliminer le groupe GP (Boc, Fmoc, ou Z) et le remplacer par H.

L'invention concerne plus particulièrement les aza- β^3 aminoacides suivants : Fmoc aza- β^3 -Glycine (Fmoc-N^{\alpha}hGly-OH),

Fmoc aza-β³-Lysine (Fmoc-NαhLys(Boc)-OH),
Fmoc -aza-β³-Aspartique acide (Fmoc-NαhAsp(OtBu)-OH),
Fmoc aza-β³-Methionine (Fmoc-NαhMet-OH),
Fmoc aza-β³-Arginine (Fmoc-NαhArg (Boc)-OH),
Fmoc aza-β³-Tyrosine (Fmoc-NαhTyr(OCH₂OEt)-OH).

dont les formules sont respectivement les suivantes :

5

25

30

10

Fmoc N h OH

Fmoc N h Arg(Boc)-OH

Fmoc-N h Tyr(CH2OEt)-OH

L'invention concerne également les complexes entre un peptide hybride tel que défini ci-dessus, et un élément du complexe d'histocompatibilité majeur (encore désigné complexe MHC-hybride), et éventuellement un récepteur de cellules T (encore désigné complexe MHC-hybride-récepteur T).

L'invention concerne plus particulièrement un complexe entre un peptide hybride tel que défini ci-dessus, et un récepteur de cellules T.

L'invention a également pour objet une méthode de diagnostic in vitro de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient, d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, caractérisée en ce qu'elle comprend:

10

15

20

25

30

- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur d'anticorps dirigé contre ladite protéine, avec un peptide hybride tel que défini ci-dessus, ledit peptide hybride étant issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou issu d'un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène, dans des conditions permettant la réaction entre les anticorps dirigés contre la protéine et susceptibles d'être présents dans l'échantillon biologique, et le susdit peptide hybride;
- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente ou
- la détection in vitro d'anticorps circulants chez le patient par un test de compétition en utilisant un anticorps anti-hybride.

L'invention a également pour objet un nécessaire ou kit pour la mise en oeuvre d'une méthode de diagnostic in vitro telle que définie ci-dessus, comprenant:

- un peptide hybride issu de tout ou partie de la protéine endogène ou exogène, ou correspondant à un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène,
- des réactifs pour rendre un milieu apte à la formation d'une réaction immunologique,
- des réactifs permettant de détecter le complexe antigène / anticorps qui a été produit à l'issue de la réaction immunologique, lesdits réactifs contenant éventuellement un marqueur ou étant susceptibles d'être reconnus à leur tour par un réactif marqué, plus particulièrement dans le cas où le peptide hybride ou les anticorps anti-hybrides susmentionnés ne sont pas marqués.

L'invention concerne également les compositions pharmaceutiques, notamment les vaccins, comprenant au moins un peptide hybride tel que défini ci-dessus, en association ou non avec un véhicule physiologiquement acceptable.

L'invention a plus particulièrement pour objet les compositions pharmaceutiques susmentionnées comprenant au moins un peptide hybride tel que défini ci-dessus, associé ou non à une molécule porteuse, protéique ou non, pouvant induire in vivo la production d'anticorps neutralisant la protéine exogène ou endogène responsable de la pathologie, ou induire in vivo une réponse immune cellulaire cytotoxique ou auxiliaire.

L'invention concerne également les anticorps anti-peptides hybrides polyclonaux ou monoclonaux tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec au

10

15

20

25

30

moins un peptide hybride défini ci-dessus, lesdits anticorps étant susceptibles de former un complexe avec ces peptides hybrides, et/ou avec les peptides ou protéines parents correspondant à ces derniers, et caractérisés en ce qu'ils reconnaissent le peptide parent ou la protéine parente avec une affinité au moins égale à celle présentée par les anticorps anti-peptide parent ou anti-protéine parente vis à vis du peptide parent ou de la protéine parente.

L'invention a plus particulièrement pour objet les anticorps anti-idiotypes susceptibles de former un complexe avec les anticorps susmentionnés, tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec lesdits anticorps.

L'invention concerne également une méthode de diagnostic in vitro de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, ladite méthode étant caractérisée en ce qu'elle comprend:

- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur de ladite protéine, avec l'un au moins des anticorps susmentionnés, les anticorps étant avantageusement dirigés contre un peptide hybride issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou

dans des conditions permettant la réaction entre la protéine susceptible d'être présente dans l'échantillon biologique, et les susdits anticorps dirigés contre le susdit peptide hybride;

- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente.

L'invention a également pour objet un nécessaire où kit pour la mise en oeuvre d'une méthode de diagnostic in vitro telle que définie ci-dessus, comprenant:

- des anticorps susmentionnés, dirigés contre ce peptide hybride;
- des réactifs pour rendre un milieu apte à la formation d'une réaction immunologique;
- des réactifs permettant de détecter le complexe antigène / anticorps qui a été produit à l'issue de la réaction immunologique, lesdits réactifs contenant éventuellement un marqueur ou étant susceptibles d'être reconnus à leur tour par un réactif marqué, plus particulièrement dans le cas où le peptide hybride ou les anticorps anti-hybrides susmentionnés ne sont pas marqués.

10

15

20

25

30

L'invention concerne également les compositions pharmaceutiques, notamment les vaccins, comprenant au moins un anti-idiotype susmentionné, en association avec un véhicule physiologiquement acceptable.

L'invention a plus particulièrement pour objet les compositions pharmaceutiques susmentionnées comprenant au moins un anti-idiotype tel que défini ci-dessus, associé à une molécule porteuse, protéique ou non, pouvant induire *in vivo* la production d'anticorps neutralisant la protéine exogène ou endogène responsable de la pathologie, ou induire *in vivo* une réponse immune cellulaire cytotoxique.

L'invention concerne également les compositions pharmaceutiques, comprenant des anticorps tels que définis ci-dessus, en association ou non avec un véhicule physiologiquement acceptable.

L'invention sera davantage illustrée à l'aide de la description détaillée qui suit de la synthèse d'aza- β^3 aminoacides, et de peptides hybrides les contenant, ainsi que de leur activité biologique.

La séquence sur laquelle les Inventeurs ont travaillé dans un premier temps est un peptide de l'histone H4 (résidus 88-99: YALKRQGRTLYG) qui représente un épitope T CD4⁺ immunodominant minimum reconnu par des cellules Th ganglionnaires de souris immunisées contre du nucléosome, structure de base de la chromatine, formée d'ADN et des quatre histones H2A, H2B, H3 et H4. Il a été démontré ces dernières années que le nucléosome joue un rôle primordial en tant qu'antigène et immunogène dans une maladie autoimmune systémique, le lupus érythémateux disséminé, qui touche aujourd'hui 1 million d'Américains. Ce peptide de la région C-terminale de l'histone H4 a l'importante propriété de ne pas être reconnu par des cellules Th générées contre la protéine H4 isolée, mais seulement par les cellules Th générées contre le nucléosome. Des études détaillées de ce peptide chez la souris normale BALB/c et à l'aide d'un modèle murin de lupus (souris NZBxNZW) ont permis d'obtenir des informations concernant la réponse cellulaire T CD4⁺ et B (production d'anticorps) dirigées contre ce peptide.

La synthèse de plusieurs analogues de ce peptide 88-99 de l'histone H4 a été réalisée en remplaçant avec succès différentes positions par leur analogue respectif N^{\Omega}haa, selon la méthodologie décrite ci-dessous.



I) Méthodologie de Synthèse

La synthèse décrite ci-après est celle d'aza-β³ peptides ou peptides hybrides incluant un ou plusieurs monomères aza-β³ amino acides, homologues azotés d'amino acides. Les chaînes latérales des monomères mimant les aminoacides sont portées par des atomes d'azote qui sont isoélectroniques des CHα, (atomes d'azote chiraux à configuration non fixée), ce qui leur confére une grande liberté conformationnelle. De plus, ces monomères ne possèdent aucun centre d'asymétrie de configuration fixée. Le positionnement correct de la chaîne peptidique dans un site enzymatique se produit à la fois par le déplacement d'équilibres conformationnel et configurationnel. L'action d'un tel composé, d'un point de vue stéréochimique, est équivalente à celle d'un mélange de diastéréoisomères en équilibre rapide, l'interaction avec le site enzymatique déplaçant l'équilibre vers le plus affine.

La méthode de la présente invention permet d'introduire une grande variété de chaînes latérales, protéogéniques ou non protéogéniques, dans des positions choisies. D'autres bénéfices potentiels en résultent également tels qu'une simplification des méthodes de synthèse (suppression des problèmes stéréochimiques) et une plus grande résistance de tels analogues aux squelettes modifiés vis-à-vis de l'action des peptidases. Ceci permet d'une part de mimer la plupart des aminoacides naturels et non naturels et d'autre part d'introduire sur le squelette pseudopeptidique des chaînes latérales susceptibles de moduler ses caractéristiques biophysiques. L'introduction de groupements favorisant le passage de ces analogues à travers les membranes cellulaires (chaînes lipophiles) ou augmentant leur solubilité dans le milieu plasmatique (groupements perfluorés par exemple) nous permet de moduler, voire, d'optimiser la biodisponibilité de ces composés.

25

20

5

10

15

a) Monomères aza-β³-amino acides

Deux méthodologies de synthèse sont utilisées pour obtenir les monomères aza- β^3 -amino acides à partir des hydrazines convenablement substituées et protégées, selon la nature des chaînes latérales que l'on désire mimer.

30

- Soit par bromoacétylation d'hydrazines N,N'-disubstituées, la déprotection du monomère orthogonalement protégé conduisant à l'aza β^3 amino acide désiré avec des rendements de l'ordre de 60-80 %.

Cette méthode consistant à réaliser une substitution nucléophile puis une déprotection a été publiée dans Synlett : New Monomers for Solid Phase Synthesis of Hydrazinopeptoides: the N^{α} -Substituted- N^{β} -Protected hydrazinoglycines and N^{α} -Substituted- N^{β} -Protected hydrazinoglycinals. A. Cheguillaume, I. Doubli-Bounoua, M. Baudy-Floc'h, P. Le Grel, *Synlett* 2000, 3, 331-334.

- Soit par amination réductrice de l'acide glyoxylique.

5

10

15

20

Cette méthode est une nouvelle méthode de synthèse des Fmoc-aza-β³amino acides (Nαhaa): A une suspension d'hydrazine substituée Fmoc protégée (1eq) dans 50ml d'EtOH, de l'acide glyoxylique (1.1eq) est ajouté sous agitation. Après 0.5h, NaBH₃CN (1.2eq) est ajouté au mélange, le pH est ajusté à 3-4 par addition d'HCl 2N, après 0.5h supplémentaire le pH est ajusté à 1. Après 10 min d'agitation le mélange réactionnel est concentré par évaporation, puis dilué par addition de 100 mL d'acétate d'éthyle. La solution est lavée successivement par NaHCO₃ (5%) et de la brine puis séchée sur Na₂SO₄. Après évaporation du solvant, on obtient le monomère Fmoc-aza-β³ amino acide avec des rendements de l'ordre de 82-87%.

GP=Boc ou Fmoc

R1: H CH₃ CH(CH₃)₂ CH₂CH(CH₃)₂ CH₂Ph (CH₂)₄NHB₀C NahGly NahAla N^αhVal $N^{\alpha}hLeu$ NαhPhe NahLys CH₂CO₂tBu $(CH_2)_2SMe$ $CH_2(C_6H_4)OCH_2OC_2H_5$ $(CH_2)_3NHC=(NBoc)NHBoc$ $N^{\alpha}hAsp$ NαhMet $N^{\alpha}hTyr$ N^ahAra

a-1) Fmoc aza-β³-Glycine (Fmoc-N^αhGly-OH)

A une suspension de Fmoc carbazate (1eq) dans 50ml d'EtOH, de l'acide glyoxylique (1.1eq) est ajouté sous agitation. Après 0.5h, NaBH₃CN (1.2 eq) est ajouté au mélange, le pH est ajusté à 3-4 par addition d'HCl 2N, après 0.5h

ivi uupui

5

10

15

supplémentaire le pH est ajusté à 1. Après 10 min d'agitation le mélange réactionnel est concentré par évaporation, puis dilué par addition de 100 mL d'acétate d'éthyle. La solution est lavée successivement par NaHCO₃ (5%) et de la brine puis séchée sur Na₂SO₄. Après évaporation du solvant, on obtient le monomère Fmoc-aza-\(\beta^3\) glycine avec un rendement de 86%.

mp: 122-124°C. ¹H NMR (DMSO): 3.75 (s, 2H, CH₂), 4.25 (t, 1H, J = 6.8 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J = 6.8 Hz, CH₂), 6.90 (br s, 1H, NH), 7.30-7.85 (m, 8H, Ar), 10.0 (s, 1H, OH). ¹³C NMR (DMSO): 162.90, 144.07, 141.59, 128.06, 127.38, 125.44, 120.30, 67.37, 58.00, 47.43. HRMS: (M+) Calc. pour $C_{17}H_{15}N_2O_3$ 295.1082; Tr: 295.1083.

a-2) Fmoc -aza- β^3 -Aspartique acide (Fmoc-N $^{\alpha}$ hAsp(OtBu)-OH).

a-2-1) Fmoc NH-NHCH₂CO₂tBu: A une solution de 2.54g de Fmoc carbazate (10 mmol) dans 10ml DMF, une solution de 1.95g de bromoacetate de tert-butyl (10mmol) dans 10ml de CH₂Cl₂ est ajoutée goutte à goutte sous agitation à température ambiante. Après 12h d'agitation, le solvant est partiellement évaporé et le résidu est purifié par chromatographie sur gel de silice (ethyl acetate / hexane 1/1) pour obtenir 2.79g (rendement: 76%) sous forme d'huile incolore qui cristallise lentement.

20 mp.114-116°C. ¹H NMR (CDCl₃) 1.50 (s, 9H, tBu), 3.61 (d, 2H, CH₂), 4.25 (t, 1H, *J* = 6.8 Hz, CH), 4.44 (d, 2H, *J* = 6.8 Hz, CH₂), 6.90 (brs, 1H, NH), 7.20-7.80 (m, 13H, ar). ¹³C NMR (CDCl₃): 171.55, 162.90, 144.07, 141.59, 128.06, 127.38, 125.44, 120.30, 82.21, 67.37, 53.10, 47.43, 28.42. C₂₁H₂₄N₂O₄ 368.1736 Calc: C, 68.45; H, 6.57; N, 7.61; Tr., C, 68.56; H, 6.73; N, 7.62.

a-2-2) Fmoc-NahAsp(OtBu)-OH:

Le monomère Fmoc-N^αhAsp(OtBu) est préparé en suivant le mode opératoire général d'amination réductrice à partir de l'hydrazine Fmoc NH-NHCH₂CO₂tBu décrit plus haut

87%; mp: 98-100°C. ¹H NMR (CDCl₃): 1.50 (s, 9H, ^tBu), 3.60 (m, 2H, CH₂), 3.72 (m, 2H, CH₂), 4.22 (t, 1H, *J* = 6.3 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, *J* = 6.3 Hz, CH₂), 7.20 (brs, 1H, NH), 7.22-7.84 (m, 8H, ar). ¹³C NMR (CDCl₃): 171.23, 171.00, 158.03, 143.61, 141.76, 128.33, 127.59, 125.33, 120.50, 83.80, 68.19, 59.20, 58.80, 47.49,

10

15

20

25

30

28.53. HRMS: (M+) Calc.pour $C_{23}H_{26}N_2O_6$ 426.1790; Tr. 426.1790 Anal. calc. C, 64.76; H, 6.15; N, 6.57; Tr, C, 64.84; H, 6.18; N, 6.58.

a-3) Fmoc aza-63-Methionine (Fmoc-NahMet-OH)

a-3-1) Fmoc NH-NH(CH₂)₂SMe: A une solution de Methyl Thio Acetaldehyde Dimethylacetal (5g, 36mmol) dans CH₂Cl₂, 16ml d'HCl (1%) est additionné. Après agitation à température ambiante pendant 0.5h, une suspension de Fmoc cabazate (8.38g, 33mmol) dans 100ml de THF est additionnée. Après 10min, 1g de tamis moléculaire (4Å) est ajouté et le mélange est laissé sous agitation pendant 12h. 2.14g de cyanoborohydrure de sodium (34mmol) sont ensuite ajoutés par fractions sur une période de 45min, le pH étant maintenu à 3-4 par addition par une solution d'HCl 2N. Le mélange est agité pendant 2h supplémentaire, puis ajusté à pH 1. Le mélange est dilué dans 50ml d'acétate d'éthyle, neutralisé par NaHCO₃ et lavé par de la brine. Les phases aqueuses sont extraites par 3x50ml de CH₂Cl₂. Les phases organiques sont rassemblées et séchées sur Na₂SO₄. Le solvant est évaporé et l'huile.

obtenue est reprise à l'ether de pétrole pour donner un précipité de 4.54g (42%).

mp:132°C. ¹H NMR (CDCl₃): 2.15 (s, 3H, CH₃), 2.64 (t, 2H, J = Hz, CH₂),

3.12 (t, 2H, J = Hz, CH₂), 4.25 (t, 1H, J = 6.6 Hz, CH), 4.52 (d, 2H, J = 6.6 Hz, CH₂),

6.46 (brs, 1H, NH), 7.25-7.82 (m, 8H, ar), 8.21 (brs, 1H, NH). ¹³C NMR (CDCl₃): 157.67, 144.05, 141.75, 128.21, 127.51, 125.39, 120.46, 67.41, 50.09, 47.58, 32.63, 15.66. Anal calc. pour C₁₈H₂₀O₂N₂S 328.1245: C, 65.83; H, 6.14; N, 8.54; S, 9.74. Tr: C, 65.90; H, 6.18; N, 8.62; S, 9.69.

a-3-2) Fmoc-N^αhMet-OH:

Le monomère Fmoc-N^αhMet-OH est préparé en suivant le mode opératoire général d'amination réductrice à partir de l'hydrazine Fmoc NH-NH(CH₂)₂SMe décrit plus haut

83%. 1 H NMR (CDCl₃): 2.15 (s, 3H, CH₃), 2.55 (t, 2H, J= Hz, CH₂), 3.15 (t, 2H, J= Hz, CH₂), 3.69 (s, 2H, CH₂), 4.20 (t, 1H, J= 6.6 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J= 6.6 Hz, CH₂), 6.95 (brs, 1H, NH), 7.25-7.82 (m, 8H, ar), 9.24 (sl, 1H, OH). 13 C NMR (CDCl₃): 173.42, 156.02, 143.87, 141.76, 128.26, 127.54, 125.38, 120.45, 67.54, 59.18, 56.70, 47.56, 30.12, 16.09. HRMS [M+H] $^{+}$ C₂₀H₂₃N₂O₄S Calc: 387.1379; Tr: 387.1379.

10

15

20

25

30



a-4) Fmoc aza-β³-Tyrosine (Fmoc-N^αhTyr(OCH₂OEt)-OH)

a-4-1) 4-(ethyloxymethyloxy)benzaldehyde: A un mélange de 4-hydroxybenzaldehyde (5g, 0.041 mol) et de 12ml de triethylamine dans 30ml de THF est ajouté une solution de chloromethyl ethyl ether (5.65g, 0.06mol) dans 20ml THF à 0°C et le mélange esst agité à température ambiante pendant 2h. Le chlorhydrate de triéthylamine est filtréet le solvant est évaporé sous pression réduite pour donner le 4-ethyloxymethyloxy benzaldehyde sous forme d'huile (6.63g, 90%).

¹H NMR (CDCl₃): 1.30 (t, 3H, J = 7.1 Hz, CH₃), 3.70 (q, 2H, J = 7.1 Hz, CH₂), 5.25 (s, 2H, CH₂), 7.15-7.80 (m, 4H, ar), 10.10 (s, 1H, CHO).

a-4-2) Fmoc-NH-NHCH₂(C₆H₄)OCH₂OEt: 5.6g de Fmoc cabazate (22mmol) est ajouté sous agitation à une solution de 4-(ethyloxymethyloxy)benzaldehyde (5.3g, 29mmol) dans 100ml de THF sec à température ambiante. Après 10min, 1g de tamis moléculaire (4Å) est ajouté et le mélange est agité pendant 1h. 1.57g de cyanoborohydrure de sodium (25mmol) est ajouté en 45min et le pH est maintenu à 3-4 par addition d'une solution d'HCl (2N). Après 2h d'agitation, le pH est ajusté à 1. 50ml d'acétate d'éthyle sont alors additionné et le mélange est neutralisé par une solution saturée de NaHCO₃. La phase aqueuse est extraite par CH₂Cl₂ (3x50ml). Les phases organiques sont séchées sur Na₂SO₄ et le solvant est évaporé sous pression réduite pour donner une huile qui par addition d'éther de pétrole donne un précipité blanc (5.34g, 58%).

Mp: 113°C. ¹H NMR (CDCl₃): 1.30 (t, 3H, J= 7.1 Hz, CH₃), 3.70 (q, 2H, J= 7.1 Hz, CH₂), 3.98 (d, 2H, J= 6.8Hz, CH₂), 4.25 (t, 1H, J= 6.8 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J= 6.8 Hz, CH₂), 5.25 (s, 2H, CH₂), 6.30 (brs, 1H, NH), 7.15-7.80 (m, 13H, ar), 8.21 (brs, 1H, NH). ¹³C NMR (CDCl₃): 157.49, 144.06, 141.76, 130.70, 128.19, 127.50, 125.40, 120.44, 116.68, 93.58, 67.36, 64.65, 55.48, 47.60, 15.53. Anal.Calc: C₂₅H₂₆N₂O₄: 418.1892. C, 71.74; H, 6.27; N, 6.70; Tr: C, 71.78; H, 6.29; N, 6.70.

a-4-3) Fmoc-N^αhTyr (OCH₂OEt)-OH:

Le monomère Fmoc-N^αhTyr (OCH₂OEt)-OH est préparé en suivant le mode opératoire général d'amination réductrice à partir de l'hydrazine Fmoc-NH-NHCH₂(C₆H₄)OCH₂OEt décrit plus haut

¹H NMR (CDCl₃): 1.25 (t, 3H, J = 7.0 Hz, CH₃), 3.68 (q, 2H, J = 7.0 Hz, CH₂), 3.70 (s, 2H, CH₂), 4.05 (s, 2H, CH₂), 4.20 (t, 1H, J = 6.8 Hz, CH), 4.50 (d, 2H,

10

15

20

25

30

J = 6.8 Hz, CH₂), 5.26 (s, 2H, CH₂), 6.80 (brs, 1H, NH), 7.25-7.80 (m, 8H, ar), 8.60 (brs, 1H, NH), 9.80 (br s, 1H, OH). ¹³C NMR (CDCl₃): 173.40, 157.68, 156.02, 143.93, 141.74, 131.04, 128.23, 127.55, 125.43, 120.43, 116.73, 93.48, 66.30, 64.68, 61.11, 59.00, 47.51, 15.61. HRMS [M+H]⁺ $C_{27}H_{29}N_2O_6$ Calc: 477.2026; Tr: 477.2023. Anal. Calc: C, 68.04; H, 5.93; N, 5.88; Tr: C, 68.00; H, 5.90; N, 5.87.

a-5) Fmoc aza- β^3 Arginine (Fmoc-N^{α}hArg (Boc)-OH)

a-5-1) 1-tert-Butoxycarbonylamino-3,3-diethoxypropane:

Un mélange de di-tert-butyl dicarbonate (9g, 40 mmol.) dans le dioxane (40ml) est additionné goutte à goutte, à une solution, sous agitation et à 0°C, de 1-amino-3,3-diéthoxypropane (5.52g, 37 mmol) et de Et₃N (4.04g, 40 mmol) dans 5ml dioxane. Après 2h, le mélange est agité à température ambiante 12h puis le solvent est évaporé. L'huile résiduelle est reprise par 10mL d'eau, acidifiée avec 30ml HCl (1%), puis extraite à l'acétate d'éthyle (60ml x 3). Les phases organiques sont séchées (MgSO4) et évaporées pour donner 8.89 g de 1-tert-Butoxycarbonyl-amino-3,3-diethoxypropane (90%).

¹H NMR (CDCl₃): 1.20 (t, 6H, J = 8.8 Hz, CH₃), 1.40 (s, 9H, C(CH₃)₃), 1.60-2.00 (m, 2H, CH₂C), 3.00-3.80 (m, 6H, OCH₂+NHCH₂), 4.50 (t, 1H, J = 6.4 Hz, CH), 5.05-5.10 (br, 1H, NH).

a-5-2) 3-tert-Butoxycarbonylaminopropanal: Une solution de 1-tert-Butoxycarbonyl-amino-3,3-diethoxypropane (8.89g, 36mmol) dans 15ml d'acide acétique et 4ml d'eau est agitée à température ambiante pendant 10h, puis neutralisée par NaHCO₃, reprise à l'acétate d'éthyle et lavée à brine. Les phases organiques sont évaporées à pression réduite pour donner 5.17g de 3-tert-butoxycarbonylaminopropanal (83%).

¹H NMR (CDCl₃): 1.45 (s, 9H, C(CH₃)₃), 2.60-2.80 (t, 2H, CCH₂), 3.20-3.50 (m, 2H, NCH₂), 5.10-5.20 (br s, 1H, NH), 9.86 (s, 1H, CHO).

a-5-3) Fmoc-NH-NH(CH₂)₃ NHBoc: 5.08g de Fmoc carbazate (20mmol) est additionné à une solution sous agitation de 3-tert-Butoxycarbonylaminopropanal (3.46g, 20mmol) dans 100ml de THF sec à température ambiante. Après 10min, 1g de tamis moléculaire (4Å) est ajouté et le mélange réactionnel est agité pendant 12h. 1.26g de cyanoborohydrure de sodium (20mmol) est ajouté par fractions en 45min. Le pH est maintenu à 3-4 par addition d'une solution d'HCl 2N. Le mélange est agité pendant 2h supplémentaire, puis le pH

10

15

20

25

30

est ajusté à 1. 50 mL d'acétate d'éthyle sont alors ajouté au mélange, la solution est neutralisée par NaHCO₃. Le mélange est extrait par CH₂Cl₂ (3x50ml). Les phases organiques sont séchées (Na₂SO₄) et le solvant est évaporé pour donner une huile qui cristallise par addition d'éther de pétrole (4.27g, 52%).

mp: 101° C. ¹H NMR (DMSO) 1.40 (s, 9H, tBu), 1.50 (m, 2H, CH₂), 2.68 (m, 2H, CH₂), 2.98 (m, 2H, CH₂), 4.24 (t, 1H, J = 6.9 Hz, CH), 4.32 (d, 2H, J = 6.9 Hz, CH₂), 4.70-4.85 (brs, 1H, NH), 6.78 (brs, 1H, NH), 6.80 (brs, 1H, NH), 7.25-7.90 (m, 8H, ar). ¹³C NMR (DMSO) 157.21, 155.95, 144.18, 142.94, 127.98, 127.64, 125.59, 120.46, 77.71, 65.82, 47.08, 38.39, 28.62, 28.21. HRMS calc $C_{23}H_{29}N_3O_4$: 411.2158 Anal Calc $C_{23}H_{29}N_3O_4$: C, 67.12; H, 7.11; N, 10.22. Tr: C, 67.22; H, 7.19; N, 10.24.

a-5-4) Aza- β^3 -(Boc)homolysinate de benzyle

A une solution d'hydrazine Fmoc protégée Fmoc-NH-NH(CH₂)₃ NHBoc obtenue lors de l'étape précédente (3.7g, 9mmol) et de 2-bromoacetate de benzyle (2.66g, 11.6mmol) dans 20ml de toluène est ajoutée K₂CO₃ (802mg, 5.8mmol). Le mélange est porté à reflux sous agitation pendant 28h. La solution est filtrée et évaporée sous vide. Le brut est chromatographié sur gel de silice (ethyl acetate/hexane 1/3) pour donner 3.02g (60%) d'aza-β³-(Boc)homolysinate de benzyle sous forme d'huile qui précipite lentement.

mp: 107° C. ¹H NMR (CDCl₃) 1.50 (s, 9H, tBu), 1.62 (m, 2H, CH₂), 2.97 (m, 2H, CH₂), 3.24 (m, 2H, CH₂), 3.75 (m, 2H, CH₂), 4.20 (t, 1H, J = 6.9 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J = 6.9 Hz, CH₂), 5.19 (s, 2H, CH₂), 6.88 (brs, 1H, NH), 7.25-7.90 (m, 13H, Ar). ¹³C NMR (CDCl₃): 171.23, 156.55, 155.50, 144.13, 141.77, 135.54, 129.13, 129.04, 128.84, 128.14, 127.47, 125.44, 120.40, 79.38, 67.09, 64.47, 57.63, 54.56, 47.67, 38.83, 28.85, 27.83. HRMS calc.: $C_{32}H_{37}N_3O_6$: 559.2682. Anal calc. $C_{32}H_{37}N_3O_6$: C, 68.66; H, 6.67; N, 7.51. Tr: C, 68.59; H, 6.86; N, 7.28.

a-5-5) Aza- β^3 -homolysinate de benzyle

A une solution de d'aza- β^3 -(Boc)homolysinate de benzyle (0.56g, 1mmol) dans 4 mL de DCM, 2 mL de TFA sont ajoutés et la solution est agitée pendant 6h à température ambiante. Une évaporation sous pression réduite conduit à l'aza- β^3 -homolysinate de benzyle (0.41g, 92%) sous forme d'huile.

a-5-6) Aza-β³-arginate (N-Boc) de benzyle

L'aza-β³-homolysinate de benzyle (0.18g, 0.40mmol) en solution dans 5ml de CH₂Cl₂ est lentement additionné à une solution de (BocNH)₂C=NTf (0.16g,

0.41mmol) [(BocHN)₂C=NTf est préparé selon la méthodologie de Feichtinger, K; Zapf, C; Sings, H.L; Goodman, M. *J.Org.Chem.* 1998, 63, 3804] et de triéthylamine (0.64ml, 0.46mmol). Après agitation à température ambiante pendant 12h, la solution est lavée par une solution saturée de NaHCO₃ (25ml) et la phase aqueuse est extraite par CH₂Cl₂ (3x50ml). Les phases organiques réunies sont séchées sur Na₂SO₄ et concentrées in vacuo. Le brut, purifié par flash chromatographie (ethyl acetate/hexane 1/2), conduit à l'aza-β³-arginate (N-Boc) de benzyle 0.23g (85%).

mp: 70-72°C. 1 H NMR (CDCl₃) 1.39 (s, 18H, tBu), 1.60 (m, 2H, CH₂), 2.80 (m, 2H, CH₂), 3.32 (m, 2H, CH₂), 3.66 (m, 2H, CH₂), 4.24 (t, 1H, J = 7.1 Hz, CH), 4.45 (d, 2H, J = 7.1 Hz, CH₂), 5.05 (s, 2H, CH₂), 6.95 (brs, 1H, NH), 7.27-7.82 (m, 13H, Ar), 8.28 (brs, 1H, NH), 11.45(brs, 1H, NH). 13 C NMR (CDCl₃): 171.45, 170.80, 163.97, 156.57, 153.59, 144.17, 141.73, 135.67, 129.06, 128.91, 128.78, 128.09, 127.45, 125.47, 120.34, 83.35, 79.48, 66.93, 60.74, 58.04, 53.89, 47.64, 38.83, 28.67, 28.44, 27.45. HRMS C₃₈H₄₇N₅O₈ Calcd.701.3424 Anal. Calcd for C₃₈H₄₇N₅O₈ C, 65.02; H, 6.75; N, 9.98. Found: C, 65.10; H, 6.83; N, 9.98.

a-5-7) FmocN^αhArg(Boc)-OH:

30mg de Pd/C à 10% sont ajoutés à une solution d'aza-β³-arginate (N-Boc) de benzyle (0.35g, 0.5mmol) dans 25ml d'éthanol sous atmosphère d'hydrogène. Le mélange est agité à température ambiante pendant 6h. Le catalyseur est filtré sur celite. La célite est lavé par EtOH (3x15ml) et le filtrat est évaporé pour conduire à 0.26g (89%) d'aza-β³-arginine (N-Boc) sous forme d'huile qui cristallise lentement.

Mp: 94°C. ¹H NMR (CDCl₃) 1.38 (s, 9H, tBu), 1.39 (s, 9H, tBu), 1.62 (m, 2H, CH₂), 2.89 (m, 2H, CH₂), 3.38 (m, 2H, CH₂), 3.60 (m, 2H, CH₂), 4.14 (t, 1H, J=7.1 Hz, CH), 4.40 (d, 2H, J=7.1 Hz, CH₂), 7.27-7.82 (m, 8H, Ar), 7.95 (br s, 1H, NH), 8.50 (br s, 1H, NH), 11.50 (br s, 1H, NH). ¹³C NMR (CDCl₃): 171.35, 170.70, 163.90, 157.45, 153.57, 143.96, 141.75, 128.18, 127.52, 127.31, 125.44, 120.38, 83.35, 79.60, 67.42, 58.04, 53.89, 47.61, 38.83, 28.59, 28.46, 27.47. HRMS calc pour $C_{31}H_{41}N_5O_8$ (M+) 611.2955. Tr (M+) 611.2958. Anal. Calc. for $C_{31}H_{41}N_5O_8$: C, 60.85; H, 6.76; N, 11.45. Tr. C, 60.95; H, 6.78; N, 11.47.

a-6) Fmoc aza-β³-Lysine (Fmoc-N^αhLys-OH)

a-6-1) 1-tert-Butoxycarbonylamino-3,3-diethoxybutane: Un mélange de di-tert-butyl dicarbonate (9.6 g, 40 mmol.) dans le dioxane (40ml) est

20

15

5

10

25

30

10

15

20

25

30



additionné goutte à goutte, à une solution, sous agitation et à 0°C, de 1-amino-3,3-diéthoxybutane (5.9, 37 mmol) et de Et₃N (4.04g, 40 mmol) dans 5ml dioxane. Après 2h, le mélange est agité à température ambiante 12h puis le solvent est évaporé. L'huile résiduelle est reprise par 10mL d'eau, acidifiée avec 30ml HCl (1%), puis extraite à l'acétate d'éthyle (60ml x 3). Les phases organiques sont séchées (MgSO4) et évaporées pour donner 9.4 g de 1-tert-Butoxycarbonyl-amino-3,3-diethoxybutane (90%).

¹H NMR (CDCl₃): 1.20 (t, 6H, J = 8.8 Hz, CH₃), 1.40 (s, 9H, C(CH₃)₃), 1.60-1.80 (m, 2H, CH₂C), 3.15 (m, 2H NCH₂), 3.48 (m, 2H, OCH₂), 3.85 (m, 2H, OCH₂), 4.45 (t, 1H, J = 6.4 Hz, CH), 4.65-4.70 (br, 1H, NH).

a-6-2) 3-tert-Butoxycarbonylaminobutanal: Une solution de 1-tert-Butoxycarbonyl-amino-3,3-diethoxybutane (1.61g, 6.2 mmol) dans 12ml d'acide acétique et 6ml d'eau est agitée à température ambiante pendant 5h, puis neutralisée par NaHCO₃, reprise à l'acétate d'éthyle et lavée à brine. Les phases organiques sont évaporées à pression réduite pour donner 1.27g d'une huile correspondant au 3-tert-butoxy carbonylaminobutanal en équilibre avec l'hydroxy-2 pyrazolidine.

¹H NMR (CDCl₃): 1.40 (s, 9H, C(CH₃)₃), 1.70-2.00 (m, 4H, CH₂), 3.20-3.50 (m, 2H, CH₂), 5.30-5.40 (br s, 1H, NH), 9.86 (s, CHO).

a-6-3) Fmoc-NH-NH(CH₂)₄ NHBoc: 5.08g de Fmoc carbazate (20mmol) additionné à une solution sous agitation de 3-tert-Butoxycarbonylaminobutanal (3.46g, 20mmol) dans 100ml de THF sec à température ambiante. Après 10min, 1g de tamis moléculaire (4Å), est ajouté et le mélange réactionnel est agité pendant 12h. 1.26g de cyanoborohydrure de sodium (20mmol) est ajouté par fractions en 45min. Le pH est maintenu à 3-4 par addition d'une solution d'HCl 2N. Le mélange est agité pendant 2h supplémentaire, puis le pH est ajusté à 1. 50 mL d'acétate d'éthyle sont alors ajouté au mélange, la solution est neutralisée par NaHCO₃. Le mélange est extrait par CH₂Cl₂ (3x50ml). Les phases organiques sont séchées (Na₂SO₄) et le solvant est évaporé pour donner une huile qui cristallise par addition d'éther de pétrole (4.27g, 52%).

84%. mp: 149°C ¹H NMR (DMSO): 1.45 (s, 9H, tBu), 1.55 (m, 4H, 2CH₂), 2.90 (m, 2H, CH₂), 3.20 (m, 2H, CH₂), 4.25 (t, 1H, J = 6.8 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J = 6.8 Hz, CH₂), 4.65 (br s, 1H, NH), 6.45 (br s, 1H, NH), 7.30-7.85 (m, 8H, ar). ¹³C NMR (DMSO): 158.53, 156.06, 144.13, 141.07, 128.00, 127.41, 125.55, 120.44,



10

15

20

77.73, 65.82, 50.05, 47.05, 40.52, 28.58, 27.47, 24.93. Anal. Calc: C₂₄H₃₁N₃O₄ 425.2314 C, 67.73; H, 7.35; N, 9.88; Tr: C, 67.70; H, 7.33; N, 9.87.

a-6-4) Fmoc-NahLys (Boc)-OH:

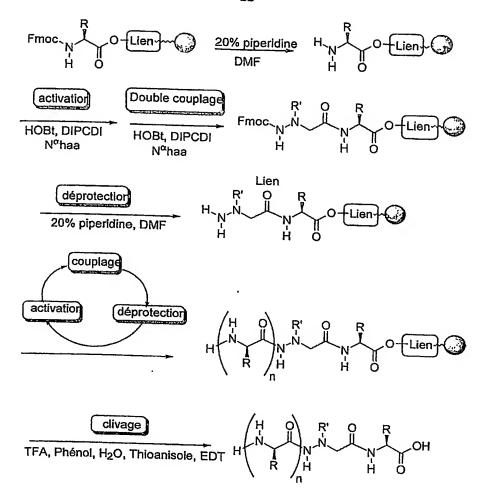
Le monomère Fmoc-NαhLys(Boc)-OH est préparé en suivant le mode opératoire général d'amination réductrice à partir de l'hydrazine Fmoc-NH-NH(CH₂)₄ NHBoc décrit plus haut

82%.¹H NMR (CDCl₃): 1.45 (s, 9H, tBu), 1.55 (m, 4H, 2 CH₂), 3.10 (m, 2H, CH₂), 3.60 (m, 2H, CH₂), 4.25 (t, 1H, J= 6.8 Hz, CH), 4.50 (d, 2H, J= 6.8 Hz, CH₂), 4.80 (br s, 1H, NH), 6.90 (br s, 1H, NH), 7.30-7.85 (m, 8H, ar). ¹³C NMR (CDCl₃): 170.97, 156.49, 156.00, 144.17, 141.76, 128.84, 128.14, 125.48, 120.40, 79.38, 67.04, 58.00, 56.52, 47.64, 40.53, 28.83, 27.68, 25.01. HRMS $C_{26}H_{33}N_3O_6$ [M+Na]+ Calc: 506.2267; Tr: 506.2265.

b) Synthèse peptidique: Peptides Hybrides

Les monomères décrits ci-dessus peuvent, à l'instar d'un amino acide protégé, être intégrés dans des positions choisies d'un peptide par synthèse sur support solide à l'aide d'un automate de synthèse à stratégie Fmoc afin d'obtenir des peptides hybrides. Ils peuvent également être associés pour conduire à des oligomères constitués exclusivement d'unités aza- β^3 -amino acides.

La synthèse des peptides hybrides a été effectuée selon le schéma suivant :



La synthèse des analogues peptidiques a été réalisée à l'aide d'un synthétiseur automatique modèle PepSyntheziserTM 9050, Milligen, fonctionnant en stratégie Fmoc en condition de flux continu. Les groupements fonctionnels des chaînes latérales des Fmoc-aminoacides sont protégés par les groupements protecteurs suivants: un groupement *t*-butoxycarbonyle (Boc) pour la Lysine (Lys), *t*-Butyl (tBu) pour la Tyrosine (Tyr) et la Thréonine (Thr), triphénylméthyle (Trt) pour la Glutamine (Gln) et 2,2,4,5,6,-pentaméthyldihydrobenzofuran-5-sulfonyle (Pbf) pour l'Arginine (Arg). Le DMF ne doit contenir aucune amine susceptible de déprotéger le groupement Fmoc au cours de la synthèse et la pipéridine utilisée pour les étapes de déprotection est pure à 99%. Le diisopropylcarbodimide (DIPCDI) et le 1-hydroxybenzotriazole (HOBt) sont utilisés en tant qu'agents de couplage.

5

10

15

La résine (1.00 g) préchargée (à \sim 0.2 mmol/g) par un résidu amino acide ou aza- β^3 -aminoacide est placée dans le réacteur du synthétiseur. Les couplages sont réalisés avec quatre fois la stoechiométrie en amino acide ou en aza- β^3 -aminoacide et un temps de couplage de 30 mn, et selon les amino acides ou les aza- β^3 -aminoacides

utilisés, un double couplage ou un temps de couplage de 60 mn est nécessaire. Après chaque étape de couplage et en fin de synthèse, l'extrémité N-terminale du dernier résidu greffé est déprotégée automatiquement par une solution à 20% de pipéridine dans le DMF.

5

10

15.

Le clivage de la résine et la déprotection des groupements fonctionnels des chaînes latérales sont réalisés simultanément par action du réactif K (82.5 % TFA, 5 % phénol, 5 % eau, 5 % thioanisole et 2.5 % éthanedithiole). La résine est extraite du réacteur et rincée au dichlorométhane, puis séchée au dessiccateur. Elle est placée dans un ballon puis le cocktail de clivage K fraîchement préparé est ajouté et le milieu réactionnel est laissé sous agitation pendant 3 h à température ambiante. La solution contenant le peptide hybride est ensuite récupérée par filtration de la résine sur fritté. Après évaporation du solvant sous pression réduite jusqu'à un volume d'environ 2 mL, le peptide hybride brut est isolé par précipitation dans l'éther glacé et filtration sur fritté. Il est purifié par HPLC sur une colonne phase inverse C18 (250 x 4.6 mm) selon un gradient d'élution (solvant A : eau + TFA 0.1 % et solvant B acétonitrile + TFA 0.08 %) 0% B à 70% B en 20min puis 70% B à 0% B en 5 min, avec un débit de 1.2 mL/min. La détection UV est réalisée à 210 nm. La pureté des peptides hybrides synthétisés est contrôlée en spectrométrie de masse par la technique ESI dans un mélange acétonitrile / eau (50 / 50).

20

La synthèse d'analogues du peptide 88-99 de l'histone H4, pour lequel nous avons remplacé avec succès différentes positions, a été réalisée selon cette méthodologie. Pour exemple les monomères Ala, Leu, Lys, Tyr, Gly ont été remplacés par leur analogue respectif $N^{\alpha}hAla$, $N^{\alpha}hLeu$, $N^{\alpha}hLys$, $N^{\alpha}hTyr$, $N^{\alpha}hGly$ etc

25

Peptide 88-99 de l'histone H4:

H-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH

Exemples de peptides hybrides préparés:

- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):

30 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N}^{lpha} ext{-} ext{hLeu-Tyr-Gly-OH}^{99}$ $[M+H]^{+} = 1440.8 ([M+H]^{+} \text{ théorique} = 1440.8) \text{ et pic de l'ion dichargé } [M+2H]^{++} = 720.9.$ - SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr-Ala-N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hLeu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$ $[M+H]^{+} = 1440.8$ ($[M+H]^{+}$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 720.9$.



```
- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):
```

 $^{88}\rm{H}_2N-Tyr-N^\alpha-hAla-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH^{99}$

 $[M+H]^+ = 1440.8 ([M+H]^+ \text{ th\'eorique} = 1440.8) \text{ et pic de l'ion dicharg\'e } [M+2H]^{++} = 720.9.$

- SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):

 $^{88}\mathrm{H_2N}$ -Tyr- N^{lpha} - hAla - N^{lpha} - hLeu -Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99 5 $[M+H]^+ = 1455.8 ([M+H]^+ théorique = 1440.8)$ et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 728.4$. - SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Ala} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{N}^{\alpha} ext{-}\mathrm{h}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$ $[M+H]^+ = 1440.8$ ($[M+H]^+$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 720.9$.

10 - SEQ ID NO: 7:

25

30

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N}$ -Tyr–Ala–Leu–Lys–Arg–Gln–Glý–Arg–Thr– N^{α} - $\mathrm{h}\mathrm{Leu}$ – N^{α} - $\mathrm{h}\mathrm{Tyr}$ –Gly-OH 99 $[M+H]^{+}$ = 1455.8 ($[M+H]^{+}$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++}$ = 728.4. - SEQ ID NO: 8:

 $^{88} H_2 N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-N^{\alpha}-hGly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH^{99}$

 $[M+H]^+ = 1440.8 ([M+H]^+ \text{ théorique} = 1440.8) \text{ et pic de l'ion dichargé } [M+2H]^{++} = 720.9.$ 15 - SEQ ID NO : 9 :

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-N $^{\alpha}$ -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99 $[M+H]^+ = 1440.8$ ($[M+H]^+$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 720.9$. - SEQ ID NO: 10:

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N}^{\alpha}$ -hArg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99 20 $[M+H]^{+} = 1440.8$ ($[M+H]^{+}$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 720.9$. - SEQ ID NO: 11: 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-N $^{\alpha}_{i}$ hTyr-Gly-OH 99

 $[M+H]^+ = 1440.8$ ($[M+H]^+$ théorique = 1440.8) et pic de l'ion dichargé $[M+2H]^{++} = 720$.

2) Analyses biologiques

Les souris BALB/c ont été immunisées avec le peptide parent 88-99 H4 et dans les cultures les lymphocytes T de ces souris ont été restimulés avec le même peptide ou avec les analogues A-E. La prolifération cellulaire a été mesurée par l'incorporation de thymidine tritiée et l'indice de stimulation (IS) par rapport aux puits sans peptide a été calculé. Les tests sont réalisés en triplicat et l'expérience est réalisée plusieurs fois dans des expériences indépendantes. Les premiers résultats (voir figure 1) montrent qu'un des peptides modifiés, à savoir l'analogue E (IS de 7.7 à 90μM) a une activité

analogue, voir supérieure selon les expériences, à celle du peptide parent (IS de 6.7 à 90 µM).

Par ailleurs une manip miroir de la précédente a été réalisée, à savoir des tests de réponse sur les lymphocytes T de souris injectées avec les peptides modifiés et stimulation ex vivo avec le peptide parent (88-99). Après injection des analogues, des analyses ont été réalisées sur des cultures de cellules avec lesdits analogues et le peptide parent 88-99. On observe les résultats suivants :

- 1) les peptides A et D sont immunogènes (induisent des réponses contre le peptide homologue) mais sans réaction croisée avec le peptide parent (voir figure 2).
 - 2) le peptide E est immunogène et les cellules T générées réagissent par réaction croisée avec le peptide parent (voir figure 3).
- Le peptide E croise parfaitement avec le peptide parent 88-99.

Légende des figures :

5

20

25

30

- Figure 1 : Tests de réponse sur les lymphocytes T de sourisBALB/c injectées avec le peptide parent 88-99 de l'histone H4 en sous cutanée avec de l'adjuvant de Freund, et stimulation ex-vivo avec le peptide parent ou l'analogue E ; L'indice de stimulation est indiqué en ordonnée, et les différentes concentrations en peptide sont indiquées en abscisse.
- Figure 2 : Tests de réponse sur les lymphocytes T de sourisBALB/c injectées avec le peptide modifié 88-99 A ou avec le peptide modifié 88-99 D de l'histone H4 en sous cutanée avec de l'adjuvant de Freund. L'indice de stimulation est indiqué en ordonnée, et les différentes concentrations en peptide sont indiquées en abscisse.
- Figure 3 : Tests de réponse sur les lymphocytes T de sourisBALB/c injectées avec le peptide modifié 88-99 E de l'histone H4 en sous cutanée avec de l'adjuvant de Freund. L'indice de stimulation est indiqué en ordonnée, et les différentes concentrations en peptide sont indiquées en abscisse.

<u>Bibliographie</u>

- Appella, E.; Loftus, D.J.; Sakaguchi, K.; Celis, E. Biomed. Pept. Proteins Nucleic Acids 1996, 1, 177.
- Mézière, C.; Viguier, M.; Dumortier, H.; Lo-Man, R.; Leclerc, C.; Guillet, J.G.; Briand, J.P.; Muller, S. J. Immunol. 1997, 3230-3237.
 - Briand, J.P.; Benkirane, N.; Guichard, G.; Newman, J.F.E.; Van Regenmortel,
 - M.H.V.; Brown, F.; Muller, S. Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A. 1997, 94, 12545-12550.
 Liu, M.A. Nat. Med., 1998, 4, Suppl. 5, 503.
- Stemmer, C.; and Guichard, G. Exp. Opin. Ther. Patents 1998, 8, 819-830.
 Ostankovitch, M, Guichard, G, Connan, F, Muller, S, Chaboissier, A, Hoebeke, J, Choppin, J, Briand, JP, Guillet, JG. J Immunol 1998; 161:200-8.
 - Petit, M.C.; Benkirane, N.; Guichard, G.; Phan Chan Du, A.; Marraud, M.; Cung, M.T.; Briand, J.P.; Muller, S. J. Biol. Chem. 1999, 274, 3686-3692.
- Stemmer, C.; Quesnel, A.; Prévost-Blondel, A.; Zimmermann, C.; Muller, S.; Briand, J.P.; Pircher, H. J. Biol. Chem. 1999, 274, 5550-5555
 - Ben Yedidia, T., Beignon, AS, Partidos, CD, Muller, S. and Arnon, A. Mol. Immunol. 2002, 39, 323-331.
- Phan-Chan Du, A., Limal, D., Semetey, V., Dali, H., Jolivet, M., Desgranges, C., Cung, MT, Briand, JP, Petit, MC and Muller, S. J. Mol Biol. 2002, 323, 503-521.
 - Decker, P., Le Moal, A., Briand, J.P., Muller. S. J. Immunol. 2000, 165, 654-662.

i

REVENDICATIONS

- 1. Utilisation de peptides hybrides analogues de peptides ou protéines parents, ces peptides hybrides comprenant au moins un résidu aza- β^3 aminoacyle, à savoir :
- un résidu répondant à la formule (A) suivante lorsqu'il est situé en position N-terminale,

dans laquelle R représente H ou un groupe protecteur de la fonction amine des aminoacides, tels que Fmoc, Boc, ou Z, et R₁ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

- un résidu répondant à la formule (B) suivante lorsqu'il est situé en position C-terminale,

dans laquelle $R_{\rm I}$ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

- un résidu répondant à la formule (C) suivante lorsqu'il est situé dans la chaîne desdits peptides hybrides,

dans laquelle R₁ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

pour la préparation:

5

15

- d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies associées à la présence, dans l'organisme d'un individu, d'une protéine

REVENDICATIONS

1. Composition pharmaceutique, notamment vaccin, caractérisée en ce qu'elle comprend, en association ou non avec un véhicule physiologiquement acceptable, un peptide hybride analogue de peptides ou protéines parents, ce peptide hybride comprenant au moins un résidu aza- β^3 aminoacyle, à savoir :

- un résidu répondant à la formule (A) suivante lorsqu'il est situé en position N-terminale,

10

5

dans laquelle R représente H ou un groupe protecteur de la fonction amine des aminoacides, tels que Fmoc, Boc, ou Z, et R₁ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

15

- un résidu répondant à la formule (B) suivante lorsqu'il est situé en position C-terminale,

20

dans laquelle $R_{\rm I}$ représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides,

- un résidu répondant à la formule (C) suivante lorsqu'il est situé dans la chaîne desdits peptides hybrides,

25

dans laquelle R_1 représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides.



10

25

30

exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, ou

- d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies impliquant les molécules du complexe majeur d'histocompatibilité et/ou les récepteurs des cellules T,
- d'un vaccin ou d'un médicament destiné à la prévention ou au traitement de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un individu d'un anticorps susceptible d'être reconnu par un susdit peptide hybride,

ou pour la mise en oeuvre d'une méthode de diagnostic in vitro des pathologies susmentionnées.

- 2. Utilisation selon la revendication 1 :
- * de peptides hybrides de formule (I) suivante :
 - aa_l- N^{\alpha}haa_m-aa_n- N^{\alpha}haa_o-aa_o **(I)**

15 dans laquelle:

- aa_l, aa_n et aa_p représentent un résidu aminoacyle, ou un enchaînement de résidus aminoacyles, correspondant aux résidus aminoacyles présents aux mêmes positions dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus,
- N^αhaa_m et N^αhaa_o représentent un résidu monomère aza-β³aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β^3 aminoacyles, analogues aux résidus 20 aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, les dits monomères aza- β^3 aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) indiquées dans la revendication 1, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits monomères aza-β³ aminoacyles,
 - l, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, et que le nombre minimum de résidus dans lesdits peptides hybrides de formule (I) soit de 4.
 - 3. Utilisation selon la revendication 1 ou 2, de peptides hybrides issus de l'épitope 88-99 de l'histone H4 à titre de peptide parent, et correspondant à SEQ ID NO: 1, dont l'un au moins des aminoacides initiaux est substitué par un résidu



- 2. Composition pharmaceutique selon la revendication 1, comprenant :
- * des peptides hybrides de formule (I) suivante :
 - (I) $aa_{l}-N^{\alpha}haa_{m}-aa_{n}-N^{\alpha}haa_{0}-aa_{n}$

dans laquelle:

5

10

15

20

25

30

- aa₁, aa_n et aa_p représentent un résidu aminoacyle, ou un enchaînement de résidus aminoacyles, correspondant aux résidus aminoacyles présents aux mêmes positions dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus,
- N^{α} haa_m et N^{α} haa_o représentent un résidu monomère aza- β^3 aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β^3 aminoacyles, analogues aux résidus aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) indiquées dans la revendication 1, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits monomères aza- β^3 aminoacyles,
- l, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, et que le nombre minimum de résidus dans lesdits peptides hybrides de formule (I) soit de 4.
- 3. Composition pharmaceutique selon la revendication 1 ou 2, comprenant des peptides hybrides issus de l'épitope 88-99 de l'histone H4 à titre de peptide parent, et correspondant à SEQ ID NO: 1, dont l'un au moins des aminoacides initiaux est substitué par un résidu analogue aza- β^3 aminoacide, pour la préparation d'un médicament, ou vaccin, destiné à la prévention ou au traitement du lupus érythémateux disséminé.
- 4. Composition pharmaceutique selon la revendication 3, comprenant des peptides hybrides de formules suivantes :
- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):
- 88 H $_2$ N-Tyr–Ala–Leu–Lys–Arg–Gln–Gly–Arg–Thr– \mathbf{N}^{lpha} - \mathbf{h} Leu–Tyr–Gly-OH 99

29

analogue aza- β^3 aminoacide, pour la préparation d'un médicament, ou vaccin, destiné à la prévention ou au traitement du lupus érythémateux disséminé.

- 4. Utilisation selon la revendication 3, de peptides hybrides de formules suivantes:
 - SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):
 - $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N}^{lpha} ext{-} ext{hLeu-Tyr-Gly-OH}^{99}$
 - SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):
 - $^{88}\mathrm{H}_{2}\mathrm{N}\text{-}\mathrm{Tyr}\text{-}\mathrm{Ala}\text{-}\mathrm{N}^{\alpha}\text{-}\mathrm{\textbf{h}Leu}\text{-}\mathrm{Lys}\text{-}\mathrm{Arg}\text{-}\mathrm{Gln}\text{-}\mathrm{Gly}\text{-}\mathrm{Arg}\text{-}\mathrm{Thr}\text{-}\mathrm{Leu}\text{-}\mathrm{Tyr}\text{-}\mathrm{Gly}\text{-}\mathrm{OH}^{99}$
- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):
 - $^{88}\mathrm{H}_{2}\mathrm{N-Tyr-N}^{\alpha}\text{-}\mathbf{hAla}\text{-}\mathrm{Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$
 - SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):
 - $^{88} H_2 N-T yr-N^{\alpha}-h Ala-N^{\alpha}-h Leu-L ys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-T yr-Gly-OH^{99}$
 - SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):
- 15 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-N}^{\alpha}$ -hLys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99
 - SEQ ID NO: 7:
 - 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N lpha -hLeu-N lpha -hTyr-Gly-OH 99
 - SEQ ID NO: 8:
 - $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Ala} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gln} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{l}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$
- 20 SEQ ID NO : 9 :
 - 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly- N^{α} -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99
 - SEQ ID NO: 10:
 - $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N}^{lpha}$ -hArg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99
 - SEQ ID NO: 11:
- 25 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu- N^{α} -hTyr-Gly-OH 99
 - 5. Utilisation selon la revendication 3 ou 4, du peptide hybride de formule SEQ ID NO : 2.
- 6. Peptides hybrides comprenant au moins un aza-β³ aminoacide, ces peptides hybrides étant des analogues de peptides ou protéines parents, lesdits peptides hybrides comprenant au moins un aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent.



```
- SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):
```

 88 H₂N-Tyr-Ala-N $^{\alpha}$ -lıLeu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):

 $^{88}\rm{H}_2N\text{-}Tyr\text{--}N^\alpha\text{--}\textbf{h}Al\textbf{a}\text{--}Leu\text{--}Lys\text{--}Arg\text{--}Gly\text{--}Arg\text{--}Thr\text{--}Leu\text{--}Tyr\text{--}Gly\text{--}OH^{99}$

5 - SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):

 $^{88} H_2 N-T yr-N^{\alpha}-\textbf{hAla}-N^{\alpha}-\textbf{hLeu}-L ys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-T yr-Gly-OH^{99}$

- SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-N $^{\alpha}$ -hLys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 7:

10 ⁸⁸H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N^α-hLeu-N^α-hTyr-Gly-OH⁹⁹

- SEQ ID NO: 8:

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Ala} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gln} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hGly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 9:

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-N $^{\alpha}$ -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

15 - SEQ ID NO: 10:

25

30

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N $^{\alpha}$ -hArg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 11:

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-N $^{\alpha}$ -hTyr-Gly-OH 99

- 5. Composition pharmaceutique selon la revendication 3 ou 4, comprenant le peptide hybride de formule SEQ ID NO : 2.
 - 6. Peptides hybrides comprenant au moins un aza- β^3 aminoacide, ces peptides hybrides étant des analogues de peptides ou protéines parents, les dits peptides hybrides comprenant au moins un aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent.
 - 7. Peptides hybrides selon la revendication 6, de formule (I) suivante :

(I)
$$aa_{l}$$
- $N^{\alpha}haa_{m}$ - aa_{n} - $N^{\alpha}haa_{o}$ - aa_{p}

dans laquelle:

- aa_l, aa_n et aa_p représentent un résidu aminoacyle, ou un enchaînement de résidus aminoacyles, correspondant aux résidus aminoacyles présents aux mêmes positions dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus,

7. Peptides hybrides selon la revendication 6, de formule (I) suivante :

 $aa_i - N^{\alpha}haa_m - aa_n - N^{\alpha}haa_o - aa_p$ (I)

dans laquelle:

5

10

15

20

- aa, aan et aap représentent un résidu aminoacyle, ou un enchaînement de résidus aminoacyles, correspondant aux résidus aminoacyles présents aux mêmes positions dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus,

- N^αhaa_m et N^αhaa_o représentent un résidu monomère aza-β³ aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β^3 aminoacyles, analogues aux résidus aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, lesdits monomères aza-β³ aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) indiquées dans la revendication 1, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits. monomères aza-β³ aminoacyles,

- 1, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, que le nombre minimum de résidus dans lesdits peptides hybrides de formule (I) soit de 4, et l'un au moins de l, n, ou p soit différent de zéro.

8. Peptides hybrides selon la revendication 6 ou 7, de formules suivantes :

- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N}^{\alpha}$ - $^{1} ext{Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 3 (ou peptide C): 25

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-N}^{lpha}$ - $ext{hLeu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):

 88 H₂N-Tyr–N $^{\alpha}$ -hAla–Leu–Lys–Arg–Gln–Gly–Arg–Thr–Leu–Tyr–Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):

 $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hAla} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hLeu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$ 30

- SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

 $^{88}\rm{H}_2N\text{-}Tyr\text{-}Ala\text{-}Leu\text{--}N^{\alpha}\text{-}hLys\text{-}Arg\text{-}Gln\text{-}Gly\text{-}Arg\text{-}Thr\text{-}Leu\text{-}Tyr\text{-}Gly\text{-}OH^{99}$



- N^{α}haa_{α} et N^{α}haa_{α} représentent un résidu monomère aza- β ³ aminoacyle, ou un enchaînement de résidus monomères aza- β ³ aminoacyles, analogues aux résidus aminoacyles initialement présents à la même position dans le peptide ou la protéine parent dont les peptides hybrides sont issus, lesdits monomères aza- β ³ aminoacyles répondant aux formules (A), (B), ou (C) indiquées dans la revendication 1, suivant qu'ils soient respectivement en position N-terminale, C-terminale, ou dans la chaîne desdits peptides hybrides, et dans lesquelles R_1 est identique à la chaîne latérale de l'aminoacide initial du peptide ou de la protéine parent auquel correspondent lesdits monomères aza- β ³ aminoacyles,

10

5

- l, m, n, o, et p représentent zéro, ou un nombre entier compris entre 1 et 20, sous réserve que l'un au moins de m ou de o soit différent de zéro, que le nombre minimum de résidus dans lesdits peptides hybrides de formule (I) soit de 4, et l'un au moins de l, n, ou p soit différent de zéro.

15

- 8. Peptides hybrides selon la revendication 6 ou 7, de formules suivantes :
- SEQ ID NO: 2 (ou peptide E):
- $^{88} H_2 N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-\textbf{N}^{\alpha}-\textbf{hLeu}-Tyr-Gly-OH^{99}$
- SEQ ID NO: 3 (ou peptide C):
- $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Ala-}\mathbf{N}^{lpha} ext{-}\mathbf{h}\mathbf{Leu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$

20

- SEQ ID NO: 4 (ou peptide A):
- $^{88}\rm{H_2N-Tyr-N}^{\alpha}\textbf{-hAla}\textbf{-}Leu\textbf{-}Lys\textbf{-}Arg\textbf{-}Gln\textbf{-}Gly\textbf{-}Arg\textbf{-}Thr\textbf{-}Leu\textbf{-}Tyr\textbf{-}Gly\textbf{-}OH^{99}$
- SEQ ID NO: 5 (ou peptide B):
- $^{88}\mathrm{H}_2\mathrm{N} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hAla} ext{-}\mathrm{N}^{lpha} ext{-}\mathrm{hLeu} ext{-}\mathrm{Lys} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{Arg} ext{-}\mathrm{Thr} ext{-}\mathrm{Leu} ext{-}\mathrm{Tyr} ext{-}\mathrm{Gly} ext{-}\mathrm{OH}^{99}$
- SEQ ID NO: 6 (ou peptide D):

25

- $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-N}^{\alpha}\text{-}\text{hLys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$
- SEQ ID NO: 7:
- $^{88}\rm{H}_2N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N^{\alpha}-hLeu-N^{\alpha}-hTyr-Gly-OH^{99}$
- SEQ ID NO:8:
- $^{88} H_2 N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-N^{\alpha}-hGly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH^{99}$
- 30 SEQ ID NO : 9 :
 - 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-N $^{\alpha}$ -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99
 - SEQ ID NO: 10:
 - $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-N}^{lpha}$ -h $ext{Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$



- SEQ ID NO: 7:

 88 H₂N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N lpha -**hLeu**-N lpha -**hTyr**-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 8:

 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-N}^{\alpha}$ -hGly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

5 - SEQ ID NO: 9:

 $^{88}\mathrm{H_2N}$ -Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly- N^{lpha} -hArg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH 99

- SEQ ID NO: 10:

 $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-} extbf{N}^{lpha} ext{-hArg-} ext{Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

- SEQ ID NO: 11:

10 $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-N}^{\alpha}$ -hTyr-Gly-OH 99

- 9. Peptide hybride selon l'une des revendications 6 à 8, de formule suivante: SEQ ID NO : 2 (ou peptide E):
- $^{88} ext{H}_2 ext{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-N}^{lpha} ext{-} ext{hLeu-Tyr-Gly-OH}^{99}$

15

20

10. Anticorps anti- hybrides polyclonaux ou monoclonaux tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec au moins un peptide hybride défini dans l'une des revendications 1 à 9, lesdits anticorps étant susceptibles de former un complexe avec ces peptides hybrides, et/ou avec les peptides ou protéines parents correspondant à ces derniers, et caractérisés en ce qu'ils reconnaissent le peptide parent ou la protéine parente avec une affinité au moins égale à celle présentée par les anticorps antipeptide parent ou anti-protéine parente vis à vis du peptide parent ou de la protéine parente.

25

11. Anticorps anti-idiotypes susceptibles de former un complexe avec les anticorps selon la revendication 10, tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec lesdits anticorps selon la revendication 10.

30

12. Complexe entre un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, et un élément du complexe d'histocompatibilité majeur (encore désigné complexe MHC-hybride), et éventuellement un récepteur de cellules T (encore désigné complexe MHC-hybride-récepteur T).



- SEQ ID NO: 11:

5

10

15

20

25

30

 $^{88} H_2 N$ -Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Gln-Gly-Arg-Thr-Leu-N $^{\alpha}$ -hTyr-Gly-OH 99

- 9. Peptide hybride selon l'une des revendications 6 à 8, de formule suivante: SEQ ID NO : 2 (ou peptide E):
- $^{88}\text{H}_2\text{N-Tyr-Ala-Leu-Lys-Arg-Glu-Gly-Arg-Thr-N}^{\alpha}\text{-}\text{hLeu-Tyr-Gly-OH}^{99}$
- 10. Anticorps anti- peptides hybrides polyclonaux ou monoclonaux tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec au moins un peptide hybride défini dans l'une des revendications 1 à 9, lesdits anticorps étant susceptibles de former un complexe avec ces peptides hybrides, et/ou avec les peptides ou protéines parents correspondant à ces derniers, et caractérisés en ce qu'ils reconnaissent le peptide parent ou la protéine parente avec une affinité au moins égale à celle présentée par les anticorps anti-peptide parent ou anti-protéine parente vis à vis du peptide parent ou de la protéine parente.
- 11. Anticorps anti-idiotypes susceptibles de former un complexe avec les anticorps selon la revendication 10, tels qu'obtenus par immunisation d'un animal avec les dits anticorps selon la revendication 10.
- 12. Complexe entre un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, et un élément du complexe d'histocompatibilité majeur (encore désigné complexe MHC-hybride), et éventuellement un récepteur de cellules T (encore désigné complexe MHC-hybride-récepteur T).
- 13. Complexe entre un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, et un récepteur de cellules T.
- 14. Méthode de diagnostic *in vitro* de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient, d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, caractérisée en ce qu'elle comprend:
- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur d'anticorps dirigés contre ladite protéine, avec un peptide hybride tel que

10

15

20

25

30

- 13. Complexe entre un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, et un récepteur de cellules T.
- 14. Méthode de diagnostic *in vitro* de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient, d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, caractérisée en ce qu'elle comprend:
- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur d'anticorps dirigés contre ladite protéine, avec un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, ledit peptide hybride étant issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou issu d'un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène,

dans des conditions permettant la réaction entre les anticorps dirigés contre la protéine et susceptibles d'être présents dans l'échantillon biologique, et le susdit peptide hybride;

- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente ou
- la détection in vitro d'anticorps circulants chez le patient par un test de compétition en utilisant un anticorps anti-hybride.
- 15. Méthode de diagnostic *in vitro* de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, ladite méthode étant caractérisée en ce qu'elle comprend:
- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur de ladite protéine, avec l'un au moins des anticorps selon la revendication 10, les anticorps étant avantageusement dirigés contre un peptide hybride issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou

dans des conditions permettant la réaction entre la protéine susceptible d'être présente dans l'échantillon biologique, et les susdits anticorps dirigés contre le susdit peptide hybride;

10

15

20

25

30



défini dans l'une des revendications 1 à 9, ledit peptide hybride étant issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou issu d'un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène,

dans des conditions permettant la réaction entre les anticorps dirigés contre la protéine et susceptibles d'être présents dans l'échantillon biologique, et le susdit peptide hybride;

- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente ou
- la détection in vitro d'anticorps circulants chez le patient par un test de compétition en utilisant un anticorps anti-hybride.
- 15. Méthode de diagnostic in vitro de pathologies associées à la présence dans l'organisme d'un patient d'une protéine exogène ou endogène, susceptible d'être directement ou indirectement impliquée dans le processus d'apparition et/ou de développement de ces pathologies, ladite méthode étant caractérisée en ce qu'elle comprend:
- la mise en contact d'un échantillon biologique provenant d'un patient susceptible d'être porteur de ladite protéine, avec l'un au moins des anticorps selon la revendication 10, les anticorps étant avantageusement dirigés contre un peptide hybride issu de tout ou partie de ladite protéine endogène ou exogène, ou

dans des conditions permettant la réaction entre la protéine susceptible d'être présente dans l'échantillon biologique, et les susdits anticorps dirigés contre le susdit peptide hybride;

- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente, ou
- la détection d'antigènes circulants chez le patient dans des tests de compétition en utilisant un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9.
- 16. Nécessaire ou kit pour la mise en oeuvre de méthodes de diagnostic in vitro selon la revendication 14 ou 15, comprenant:
- un peptide hybride issu de tout ou partie de la protéine endogène ou exogène, ou correspondant à un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène, ou bien des anticorps selon la revendication 10, dirigés contre ce peptide hybride;



- la détection in vitro du complexe antigène / anticorps susceptible d'être formé à l'étape précédente, ou
- la détection d'antigènes circulants chez le patient dans des tests de compétition en utilisant un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9.

10

- 16. Nécessaire ou kit pour la mise en oeuvre de méthodes de diagnostic in vitro selon la revendication14 ou 15, comprenant:
- un peptide hybride issu de tout ou partie de la protéine endogène ou exogène, ou correspondant à un peptide susceptible d'être reconnu par des anticorps reconnaissant eux-mêmes la protéine exogène ou endogène, ou bien des anticorps selon la revendication 10, dirigés contre ce peptide hybride;
- des réactifs pour rendre un milieu apte à la formation d'une réaction immunologique;
- des réactifs permettant de détecter le complexe antigène / anticorps qui a été produit à l'issue de la réaction immunologique, lesdits réactifs contenant éventuellement un marqueur ou étant susceptibles d'être reconnus à leur tour par un réactif marqué, plus particulièrement dans le cas où le peptide hybride ou les anticorps anti-hybrides susmentionnés ne sont pas marqués.

20

15

17. Composition pharmaceutique, notamment vaccin, caractérisée en ce qu'elle comprend un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, ou un anti-idiotype selon la revendication 11, en association ou non avec un véhicule physiologiquement acceptable.

25

18. Composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle comprend un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, ou un anticorps anti-idiotype selon la revendication 11, associés à une molécule porteuse, protéique ou non, pouvant induire in vivo la production d'anticorps neutralisant la protéine exogène ou endogène responsable de la pathologie, ou induire in vivo une réponse immune cellulaire cytotoxique ou auxiliaire.

30

19. Composition pharmaceutique, caractérisée en ce qu'elle comprend des anticorps selon la revendication 10, en association avec un véhicule physiologiquement acceptable.

- des réactifs pour rendre un milieu apte à la formation d'une réaction inununologique;
- des réactifs permettant de détecter le complexe antigène / anticorps qui a été produit à l'issue de la réaction immunologique, lesdits réactifs contenant éventuellement un marqueur ou étant susceptibles d'être reconnus à leur tour par un réactif marqué, plus particulièrement dans le cas où le peptide hybride ou les anticorps anti-hybrides susmentionnés ne sont pas marqués.
- 17. Composition pharmaceutique, notamment vaccin, caractérisée en ce qu'elle comprend un anti-idiotype selon la revendication 11, en association ou non avec un véhicule physiologiquement acceptable.
- 18. Composition pharmaceutique caractérisée en ce qu'elle comprend un peptide hybride tel que défini dans l'une des revendications 1 à 9, ou un anticorps anti-idiotype selon la revendication 11, associés à une molécule porteuse, protéique ou non, pouvant induire *in vivo* la production d'anticorps neutralisant la protéine exogène ou endogène responsable de la pathologie, ou induire *in vivo* une réponse immune cellulaire cytotoxique ou auxiliaire.
- 20 19. Composition pharmaceutique, caractérisée en ce qu'elle comprend des anticorps selon la revendication 10, en association avec un véhicule physiologiquement acceptable.
 - 20. Procédé de préparation d'aza-β³ aminoacides caractérisé en ce qu'il comprend une étape de traitement de l'hydrazine substituée et protégée de formule (D) suivante :

$$GP \xrightarrow{H} R_1$$
 (D)

10

15

25

30

dans laquelle R représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides, le cas échéant protégée, et GP un groupe protecteur des fonctions amines, tels que Boc, Fmoc, ou Z,

20. Procédé de préparation d'aza- β^3 aminoacides caractérisé en ce qu'il comprend une étape de traitement de l'hydrazine substituée et protégée de formule (D) suivante :

dans laquelle R représente une chaîne latérale choisie parmi celles des aminoacides, le cas échéant protégée, et GP un groupe protecteur des fonctions amines, tels que Boc, Fmoc, ou Z,

avec de l'acide glyoxylique sous agitation en présence de NaBH₃CN en milieu acide,

ce qui conduit en une étape au composé aza- β^3 aminoacide de formule

15

5

10

dans laquelle R et GP sont tels que définis ci-dessus, ledit composé pouvant le cas échéant être déprotégé, notamment à l'aide de HCl, de pipéridine, ou d'hydrogène palladié, afin d'éliminer le groupe GP et le remplacer par H.

20

21. Aza- β^3 aminoacides de formules suivantes :

Fmoc aza- β^3 -Glycine (Fmoc- $N^{\alpha}h$ Gly-OH),

Fmoc aza-\(\beta^3\)-Lysine (Fmoc-\(\beta^\alpha\)hLys(Boc)-OH),

Fmoc -aza- β^3 -Aspartique acide (Fmoc-N^{α}hAsp(OtBu)-OH),

Fmoc aza-β³-Methionine (Fmoc-N^αhMet-OH),

25

Fmoc aza-β³ Arginine (Fmoc-N^αhArg (Boc)-OH),

Froc aza- β^3 -Tyrosine (Froc- $N^{\alpha}h$ Tyr(OCH₂OEt)-OH).

avec de l'acide glyoxylique sous agitation en présence de NaBH₃CN en milieu acide,

ce qui conduit en une étape au composé aza- β^3 aminoacide de formule

$$\mathsf{GP} \underbrace{\overset{\mathsf{R}_1}{\underset{\mathsf{H}}{\bigvee}}}_{\mathsf{N}} \mathsf{OH}$$

5

10

15

dans laquelle R et GP sont tels que définis ci-dessus, ledit composé pouvant le cas échéant être déprotégé, notamment à l'aide de HCl, de pipéridine, ou d'hydrogène palladié, afin d'éliminer le groupe GP et le remplacer par H.

21. Aza- β^3 aminoacides de formules suivantes :

Fmoc aza-β³-Glycine (Fmoc-N^αhGly-OH),

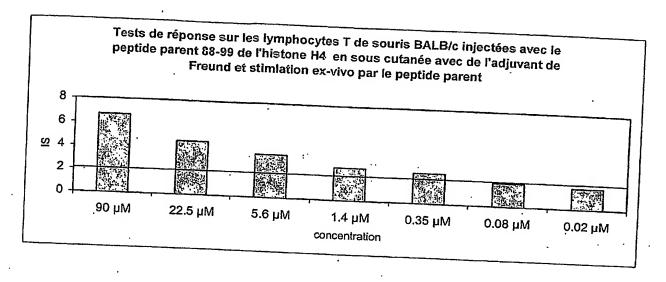
Fmoc aza-\(\beta^3\)-Lysine (Fmoc-N\(^\alpha\)hLys(Boc)-OH),

Fmoc -aza-β³-Aspartique acide (Fmoc-N^αhAsp(OtBu)-OH),

Fmoc aza-\(\beta^3\)-Methionine (Fmoc-N\(^\alpha\)hMet-OH),

Fmoc aza-β³ Arginine (Fmoc-N^αhArg (Boc)-OH),

Fmoc aza-β³-Tyrosine (Fmoc-N^αhTyr(OCH₂OEt)-OH).



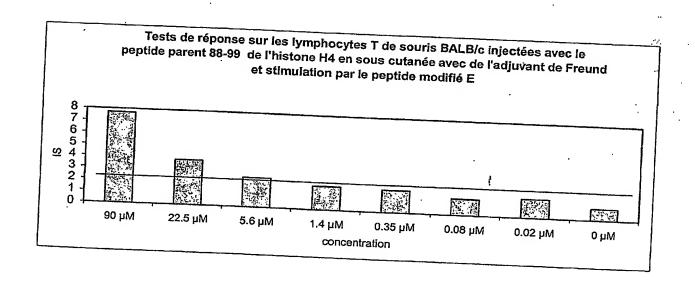
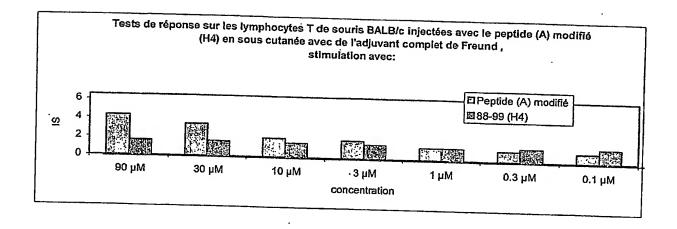


Figure 1



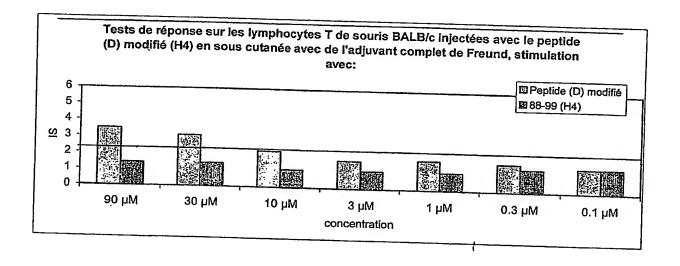


Figure 2

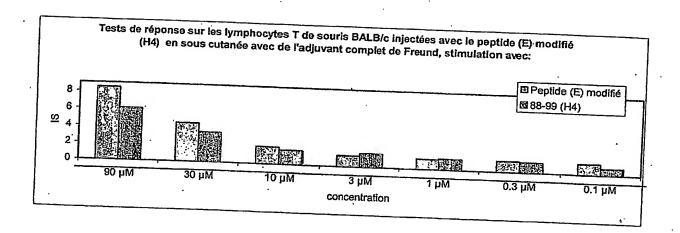


Figure 3

LISTE DE SEQUENCES

```
<110> CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE SCIENTIFIQUE
```

<120> ANALOGUES PEPTIDIQUES COMPRENANT AU MOINS UN RESIDU AZA-BETA3-AMINOACYLE, ET LEURS UTILISATIONS, NOTAMMENT EN THERAPIE

```
<130> IFB 03 AQ CNR AZA3
```

<160> 11

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 12

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 1

Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly 10

<210> 2

<211> 12

<212> PRT

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Peptide hybride

<220>

<221> MISC_FEATURE <222> (10)..(10)

<223> Nalpha-hLeucine

<400> 2

Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Gly Arg Thr Xaa Tyr Gly

<210> 3

<211> 12

<212> PRT <213> Séquence artificielle

<220>

<223> Peptide hybride

<220>

<221> MISC_FEATURE

<222> (3)..(3)

<223> Nalpha-hLeucine

<400> 3

Tyr Ala Xaa Lys Arg Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly

<210> 4

```
.<211>
         12
  <212>
         PRT
  <213> Séquence artificielle
  <220>
  <223> Peptide hybride
  <220>
  <221>
        MISC_FEATURE
  <222>
         (2)..(2)
  <223> Nalpha-hAlanine
  <400> 4
 Tyr Xaa Leu Lys Arg Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly
 <210>
        5
 <211>
        12
 <212> PRT
 <213> Séquence artificielle
 <220>
 <223>
       Peptide hybride
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222>
        (2)..(2)
 <223> Nalpha-hAlanine
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222>
       (3)..(3)
 <223> Nalpha-hLeucine
 <400> 5
Tyr Xaa Xaa Lys Arg Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly
<210> 6
<211> 12
<212> PRT
<213> Séquence artificielle
<220>
<223> Peptide hybride
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (4)..(4)
<223> Nalpha-hLysine
<400> 6
Tyr Ala Leu Xaa Arg Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly
```

```
<210> 7
<211> 12
<212> PRT
<213> Séquence artificielle
<220>
<223> Peptide hybride
<220>
<221> MISC FEATURE
<222>
       (10)^{-}. (10)
<223> Nalpha-hLeucine
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222>
       (11)...(11)
<223> Nalpha-hTyrosine
<400> 7
Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Gly Arg Thr Xaa Xaa Gly
<210>
       8
<211>
       12
<212> PRT
<213>
       Séquence artificielle
<220>
<223> Peptide hybride
<220>
<221> MISC FEATURE
<222>
       (7)..(7)
<223> Nalpha-hGlycine
<400> 8
Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Xaa Arg Thr Leu Tyr Gly
<210> 9
<211> 12
<212> PRT
<213> Séquence artificielle
<220>
<223> Peptide hybride
<220>
<221> MISC_FEATURE
<222> (8)..(8)
<223> Nalpha-hArginine
<400> 9
Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Gly Xaa Thr Leu Tyr Gly
```

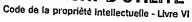
```
<210>
       10
        12
 <211>
 <212>
        PRT
 <213>
        Séquence artificielle
 <220>
 <223> Peptide hybride
 <220>
 <221> MISC_FEATURE
 <222>
       (5)...(5)
 <223> Nalpha-hArginine
 <400> 10
Tyr Ala Leu Lys Xaa Gln Gly Arg Thr Leu Tyr Gly
<210>
       11
<211>
       12
<212>
       PRT
<213>
       Séquence artificielle
<220>
<223>
       Peptide hybride
<220>
.<221>
       MISC_FEATURE
<222>
       (11)...(11)
<223> Nalpha-hTyrosine
<400> 11
Tyr Ala Leu Lys Arg Gln Gly Arg Thr Leu Xaa Gly
```

10040010 20/11/00



BREVET D'INVENTION

CERTIFICAT D'UTILITÉ





DÉPARTEMENT DES BREVETS

26 bis, rue de Saint Pétersbourg 75800 Paris Cedex 08

DÉSIGNATION D'INVENTEUR(S) Page Nº 1../.1.

(Si le demandeur n'est pas l'inventeur ou l'unique inventeur)

relephone: UI 5.	3 04 53 04 Télécopie : 01 42 94 86	5 54 Cet imprimé est à remalia liaite
Vos référen	ces pour ce dossier	Cet imprimé est à remplir lisiblement à l'encre noire 08 113 W / 250
(facultatif)		
N° D'ENREGISTREMENT NATIONAL		IFB 3 AQ CNR AZA3
TITRE DE L'INVENTION (200 caractères or		: 03/06992
IIIIL DE L	MAEIALION (200 caractères	ou espaces maximum)
	ANALOGUES PEPTI ET LEURS UTILISAT	DIQUES COMPRENANT AU MOINS UN RESIDU AZA-β³-AMINOACYLE, IONS, NOTAMMENT EN THERAPIE
LE(S) DEIVIA	NDEUR(S):	·
·	•	
F-75794	PARIS CEDEX 16, Franc	
DESIGNE(NT	EN TANT QU'INVENTE	UR(S) : (Indiquez en haut à droite «Page N° 1/1» S'il y a plus de trois inventeurs,
utilisez un fo	rmulaire identique et nun	OR(5): (Indiquez en haut à droite «Page N° $1/1$ » S'il y a plus de trois inventeurs, nérotez chaque page en indiquant le nombre total de pages).
		de pages).
Prénoms		BAUDY FLOC'H
Adresse	Rue	Michèle
		2bis, rue Moreau de Jonnes,
Co-itte ii	Code postal et ville	
Société d'appartenance (facultatif)		35000 RENNES
Nom		
Prénoms		BUSNEL
Adresse	Rue	Olivier
		La Bourrelière
Sociátá di-	Code postal et ville	
Nom	tenance (facultatif)	50140 FONTENAY
Prénoms Adresse		MULLER
	Rue	Sylviane
		11, rue Beethoven
Code postal et ville		
ociété d'appartenance (facultalif)		67000 STRASBOURG
ATE ET SIGNATURE(S) U (DES) DEMANDEUR(S) U DU MANDATAIRE Iom et qualité du signataire)		Paris, le 26 novembre 2003 Charles Demachy - Mandataire 422.5/PP170

PCT/FR2004/001467

This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

BLACK BORDERS

LWAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES

FADED TEXT OR DRAWING

BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING

SKEWED/SLANTED IMAGES

COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS

GRAY SCALE DOCUMENTS

LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT

REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

☐ OTHER:

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.